



VEGETAIS

ADIÇÃO DE MARCADORES DOMINANTES AO MAPA GENÉTICO DE MICROSSATÉLITES PARA *Capsicum annuum*

Helena Santos Diener¹; Jaqueline M. Marques¹; Marco Antonio Ferreira¹; Marcio de Carvalho
Moretzsohn¹; Zilneide Pedrosa de Souza Amaral¹; Glaucia Salles Cortopassi Buso¹.

EMBRAPA-CENARGEN-helenadiener1@gmail.com;jaquem2@yahoo.com.br;

mantonio@cenargen.embrapa.br;marciocm@cenargen.embrapa.br; zilneide@cenargen.embrapa.br;

buso@cenargen.embrapa.br

Palavras-chave: pimentão, SSR, ISSR, RAPD

A produção brasileira de frutos do gênero *Capsicum* está estimada em 280.000 toneladas por ano, o que destaca o país como um grande produtor. Atualmente, o melhoramento genético de plantas está utilizando ferramentas que possibilitam a obtenção de resultados mais rápidos e precisos. Dentre elas podem-se citar os mapas genéticos, obtidos por meio de marcadores moleculares, que permitem a cobertura e análise de genomas, a decomposição de características genéticas complexas nos seus componentes Mendelianos, a localização das regiões genômicas que controlam caracteres de importância e a quantificação do efeito destas regiões na característica estudada. Este trabalho objetivou o desenvolvimento de um mapa genético mais completo, baseado em marcadores microssatélites, RAPD e ISSR. Foi realizado o cruzamento entre dois acessos de *C. annuum* contrastantes para resistência à murcha-de-fitófтора e ao PepYMV (linhagem CNPH 148). A partir da autofecundação do F₁ desenvolvido na Embrapa Hortaliças, obteve-se a população F₂ composta por 186 indivíduos selecionados ao acaso para compor a população utilizada no desenvolvimento do mapa genético. A genotipagem dos indivíduos F₂ foi feita com o emprego de marcadores microssatélites, RAPD e ISSR. Em um trabalho realizado anteriormente, 275 pares de iniciadores microssatélites foram testados para avaliar quais apresentavam polimorfismo entre os genitores. Destes, 48 apresentaram polimorfismo e foram analisados em 186 indivíduos da população F₂ para a construção de um mapa de ligação. Como poucos microssatélites foram polimórficos, 192 marcadores RAPD também foram testados, sendo 37 polimórficos e analisados na população de mapeamento. Foram testados também 28 primers ISSR desenhados para milho e feijão. Todos foram otimizados e testados nos parentais e indivíduos aleatórios da população da geração F₂, para identificação de polimorfismos. Do total de primers ISSR, apenas dois apresentaram polimorfismo e foram utilizados na população da geração F₂. Os 39 marcadores polimórficos foram inseridos no mapa genético de *Capsicum annuum*.