

## IDENTIFICAÇÃO DA ORIGEM DE VARIEDADES ATRAVÉS DE TESTES DE SIMILARIDADE GENÉTICA ENTRE GENÓTIPOS DE BATATA (*Solanum tuberosum*).

A. BELÓ (belo@cenargen.embrapa.br)<sup>1,2</sup>; Z.P.S. AMARAL<sup>2</sup>; R.O. NODARI<sup>1</sup>; M.E. FERREIRA<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Pós-Graduação UFSC,; <sup>2</sup>Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia,

A caracterização genética de variedades é cada vez mais útil aos programas de melhoramento e à proteção de variedades lançadas comercialmente. Genótipos-elite ou linhagens puras de plantas podem ser diferenciados por técnicas moleculares que identificam diferenças a nível de DNA. Dois genótipos superiores, com características agronômicas e morfológicas distintas das variedades de batata cultivadas, alta produtividade e qualidade de tubérculos, foram isolados em campo de sementes da EMBRAPA, onde eram cultivadas as variedades *Achat* e *Monalisa*. As hipóteses sobre a origem dos genótipos foram (1) mutação a partir de variedades cultivadas, sendo um derivado de *Achat* (GL315A) e outro de *Monalisa* (GL315M), ou (2) contaminação de genótipos no campo de sementes. Para se testar as hipóteses, os genótipos GL315A e GL315M e as variedades *Achat*, *Monalisa* e *Elvira*, foram avaliados com marcadores RAPD. Análises de similaridade genética, através do coeficiente de Jaccard, e de agrupamento, através do método UPGMA, foram empregadas para determinar a semelhança entre os genótipos. Dos 184 primers RAPD testados, 107 amplificaram 311 fragmentos de DNA polimórficos entre os cinco genótipos. A similaridade genética entre a variedade *Monalisa* e o genótipo GL315M foi 0,36, rejeitando a hipótese do genótipo GL315M ser derivado da variedade *Monalisa* por mutação, tratando-se de contaminação genética. Entre o genótipo GL315A e a variedade *Achat* foi observada a maior similaridade genética do estudo, de 0,80. Este resultado rejeita a hipótese de origem do genótipo GL315A por mutação e sugere que os dois materiais possuem progenitores comuns, no seu processo de desenvolvimento. Portanto, é possível que os genótipos GL315M e GL315A sejam rebrotações de outras variedades, plantadas anteriormente no mesmo campo. Para confirmar esta hipótese, um estudo com maior número de variedades controle, através de amostragem molecular intensa, deve ser realizado.

**Palavras-chave:** Testes de identidade, RAPD, Similaridade Genética, *Solanum tuberosum*.