

ESTUDO DAS RELAÇÕES GENÉTICAS NO GÊNERO *Paspalum* PELO USO DE MARCADORES RAPD

D.A. PALMIERI¹(dabel@zipmail.com.br); M.A. GIMENES¹; C.R. LOPES¹; J.F.M. VALLS²

¹Depto. de Genética/IBB-UNESP; ²Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia

As gramíneas forrageiras nativas são uma opção importante na busca de espécies alternativas para as pastagens extensivas. Aquelas pertencentes ao gênero *Paspalum* assumem grande importância, tanto em regiões tropicais quanto subtropicais do Brasil, onde se encontram sistemas extensivos de criação de rebanhos bovinos, e onde o regime de alimentação é constituído em quase sua totalidade por pastagens naturais, com produtividade variável. O objetivo deste trabalho foi estudar as relações genéticas aos níveis intra e interespecífico entre 39 acessos incluídos em 16 espécies de *Paspalum* mediante o uso de marcadores moleculares tipo RAPD ("Random Amplified Polymorphic DNA"). As amostras foram obtidas da Coleção de Germoplasma Vegetal do IBONE (Instituto de Botânica del Nordeste, Corrientes, Argentina) e do Banco de Germoplasma do EMBRAPA Recursos Genéticos e Biotecnologia (Brasília, DF). Para a análise dos dados foi calculado o coeficiente de similaridade "Simple Matching", sendo que os valores obtidos da matriz resultante foram agrupados pelo método UPGMA ("Unweighted Pair Group Method"), usando-se o programa Treecon for Windows 1.3b. Esta análise mostrou que os acessos agruparam-se segundo os seus níveis de ploidia. Os 25 acessos pertencentes ao grupo Dilatata formaram um "cluster" principal, que por sua vez subdividiu-se em "clusters" secundários. Estas observações estão de acordo com os estudos citogenéticos e de hibridações interespecíficas que dividem o grupo Dilatata em sete biótipos. As espécies diplóides foram agrupadas em um outro "cluster", porém os dados obtidos não foram suficientes para caracterizá-las, indicando a necessidade de analisar um maior número de locos bem como a inclusão de mais acessos por espécie. A correlação do agrupamento dos acessos com seus níveis de ploidia pode decorrer da presença de um maior número de fragmentos amplificados nos poliplóides com relação aos diplóides, ou também, da amplificação de fragmentos exclusivos nos diplóides que estão ausentes nos poliplóides.

Palavras-chave: *Paspalum*, Gramíneas Forrageiras, RAPD, Variabilidade

Fontes financiadoras: CNPq, FAPESP