

ANÁLISE GENÉTICA DE ISOLADOS DE *Xanthomonas campestris* pv. vesicatoria POR ELETROFORESE DE CAMPO PULSADO. A.M. QUEZADO-SOARES¹; R. P. LEITE JÚNIOR²; M.F. LIMA,³; C.A. LOPES¹. (¹Embrapa Hortaliças, C.P. 218, 70359-970, Brasília-DF; ²IAPAR, C.P.481, 86001-970, Londrina-PR; ³Embrapa Semi-Árido. C.P.23, 56300-000, Petrolina-PE). Genetic analysis of *Xanthomonas campestris* pv. vesicatoria by pulse-field electrophoresis.

A diversidade genética de trinta e sete isolados de *Xanthomonas campestris* pv. *vesicatoria*, coletados em campos de tomate e pimentão para processamento industrial, nos municípios de Petrolina-PE, Brasilândia-MG e Presidente Olegário-MG, foi analisada através de eletroforese em campo pulsado. A digestão do DNA genômico total foi feita com a enzima de restrição *Xba* I. Os perfis de restrição dos fragmentos de DNA genômico foram utilizados para estabelecer a similaridade genética e a relação filogenética entre os isolados da bactéria através do procedimento DOLLOP do programa computacional PHYLIP (versão 3.5). A similaridade genética entre os isolados coletados variou de 76% a 100%. Entre os isolados de uma mesma localidade, maior diversidade foi observada entre os isolados de Pernambuco, com valores entre 76% e 100% e menor diversidade entre os isolados de Minas Gerais, com valores entre 94% e 100%. A similaridade genética entre os isolados incluídos neste estudo e a estirpe-tipo do grupo A de *X. c. vesicatoria* foi de 77% a 94%, enquanto entre esses e a estirpe-tipo do grupo B foi de 40% a 63%. Na análise filogenética, todos os isolados agruparam-se em uma única classe juntamente com o isolado 75-3, estirpe-tipo do grupo A de *X. c. vesicatoria*.