

Área: Hortaliças

## DIVERGÊNCIA GENÉTICA ENTRE POPULAÇÕES DE CEBOLA POTENCIAIS E COMERCIAIS NO NORDESTE, COM BASE EM MARCADOR RAPD

Gabriela de Oliveira Belo<sup>1</sup>; Carlos Antonio F. Santos<sup>2</sup>; Ierla Carla Nunes dos Santos<sup>2</sup>; Marciene Amorim Rodrigues<sup>2</sup>; Roberta Sâmara Nunes de Lima<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Graduanda de Agronomia, Universidade Estadual Santa Cruz, Rodovia Ilhéus – Itabuna, Km 16. Ilhéus, BA; <sup>2</sup>Embrapa Semi-Árido. BR 428, Km 152, Zona Rural. 56302-970. Petrolina-PE. E-mail para correspondência: casantos@cpatsa.embrapa.br

A cebolicultura é uma das atividades mais importantes nas áreas irrigadas do Vale do São Francisco. Na Bahia, essa atividade é responsável por cerca de 36.000 empregos diretos e indiretos, sendo cultivada em 6.000 há e respondendo por aproximadamente 11% da produção nacional de cebola. As principais cultivares plantadas no Estado da Bahia são oriundas do programa de melhoramento da Empresa Pernambucana de Pesquisa (IPA), com a 'IPA 11' ocupando 80% das áreas baianas de cebola. Neste trabalho foram estimadas as distâncias genéticas envolvendo genótipos comerciais denominados IPA 11, IPA 10, Brisa, Alfa São Francisco, Granex 429 e TEG 502 e os experimentais Cascuda Amarela (CA) 10, Cascuda Roxa (CR) 1, CR 15, CA Intensa (CAI) 1 para auxiliar em atividades de melhoramento da cebola na Embrapa Semi-Árido. DNA total genômico foi extraído de folhas sadias coletadas de plantas de cada genótipo, sendo a integridade e quantificação efetuada em gel de agarose a 0,8%. As reações de RAPD foram realizadas conforme procedimentos padrões, com visualização em géis de agarose a 1,5%. Fragmentos de DNA amplificados foram escorados como 0 para ausência e 1 para presença. As análises de agrupamento foram efetuadas no software Genes, adotando-se o coeficiente de Jaccard (1 - c) e a ligação média entre grupos (UPGMA). Os primers selecionados para fenotipagem foram OPA8, OPA18, OPA19, OPA20, OPC9, OPA16, OPA2, OPF1, OPF2, OPF7, OPF20, OPD3 e OPD12, que geraram 41 bandas polimórficas. TEG 502 e Granex 429 apresentaram a maior similaridade, o que era esperado, pois o híbrido Granex 429 tem como um dos parentais a TEG 502. A 'Brisa' posicionou-se no fenograma próximo da IPA 10, o que também era esperado, pois a Brisa tem como um dos parentais a IPA 10. Dois grupos podem ser visualizados no fenograma: a) CAI 1, IPA 11, ALFA São Francisco, CR 1 e CA 10, e b) TEG 502, Granex 429, CR 15, IPA 10 e Brisa. O fenograma gerado mantém as relações de *pedigree*, considerando que os genótipos CA, CAI e CR foram selecionados de um cruzamento de cebola 'Baia' x Valcatorce, enquanto IPA 10, IPA 11 e Brisa de cruzamentos entre 'Baia' x cebola 'Grano', Alfa São Francisco de policruzamentos entre 'Baías' e TEG 502 e Granex 429 de seleções dentro de cebola 'Grano'. Novos estudos com um maior número de fragmentos de RAPD e com outros marcadores de maior reprodutibilidade, como AFLP, devem ser realizados para o estabelecimento de relações de parentesco entre as populações cebola potenciais ou cultivadas no Nordeste brasileiro, o que deverá auxiliar no desenvolvimento de novas cultivares para a região.

**Palavras-chave:** *Allium cepa*, agrupamento

**Apoio financeiro:** BNB Etene Fundeci