

FINGERPRINTING DE DNA NA AVALIAÇÃO DE DUPLICAÇÕES DE GENÓTIPOS NO BANCO DE GERMOPLASMA DE ARROZ (*Oryza sativa* L.)

**N.J.M.L. SILVA<sup>1,2</sup>; T.C. de L. LINS<sup>1,2</sup>; Z. AMARAL<sup>1</sup>; P.H.N. RANGEL<sup>3</sup>;**

M.E. FERREIRA (ferreira@cenargen.embrapa.br)<sup>1</sup>

**<sup>1</sup>Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia; <sup>2</sup>UNB; <sup>3</sup>Embrapa Arroz e Feijão**

Germoplasma vegetal vem sendo conservado no mundo, em coleções *ex situ*, constatando -se para cereais, duas tendências: o estreitamento da base genética dos programas de melhoramento pelo uso de pequeno conjunto de linhagens aparentadas, causando estagnação da produtividade e carência de informações sobre os acessos conservados, dificultando sua utilização. É possível que nas coleções existentes observe-se significativo número de acessos com igual denominação que podem ou não possuir a mesma identidade genética. É provável também que acessos com nomes distintos sejam geneticamente idênticos. O estudo de polimorfismos de sequências de DNA, através de técnicas de alta capacidade multiplex, viabiliza a análise de grande número de acessos conservados em Bancos de Germoplasma. O corolário é uma inversão de prioridades, onde o "fingerprinting" molecular em larga escala precede a avaliação agronômica e morfológica dos acessos, possibilitando a eliminação de duplicações antes que as análises que demandam tempo e mão-de-obra sejam executadas. Neste estudo, 94 variedades tradicionais de arroz coletadas no Sudeste do Brasil foram analisadas com marcadores RAPD previamente selecionados. O polimorfismo dos 92 marcadores foi utilizado para estimar índices de similaridade genética e agrupados pelo método UPGMA. Cerca de 20% das variedades testadas são do tipo indica e 80% do tipo japônica. Variedades com o mesmo nome tendem a se agrupar e apresentam alto índice de similaridade genética. No entanto, observa-se que algumas sinonímias são geneticamente diferentes. Cerca de 5% dos acessos possuem "fingerprinting" molecular idêntico, enquanto 15% possuem índice de similaridade acima de 95%, evidenciando duplicações na coleção.

**Palavras chaves:** Arroz, variabilidade genética, RAPD.