

030 - ANÁLISE GENÉTICA DE ACESSOS CULTIVADOS E SILVESTRES DE *Capsicum* UTILIZANDO MARCADORES MOLECULARES (Genetic analysis of cultivated and wild access of *Capsicum* utilizing molecules marks)

Kratka, P.C.¹, Tristan, R.L.², Tavares, H.M.E.³, Lins, T.C.L.⁴, Bianchetti, L.⁵, Ferreira, M.E.⁶, Amaral, Z.P.⁷, Buso, G.S.C.⁸

O gênero *Capsicum* é composto de 20-25 espécies das quais cinco são cultivadas: *C. annuum*, *C. chinense*, *C. baccatum*, *C. frutescens*, e *C. pubescens*. Populações silvestres de *Capsicum* estão distribuídas em todo o continente americano, entretanto, pouco se conhece sobre as espécies brasileiras. Um pré-requisito para a utilização eficiente dos recursos genéticos é o conhecimento da extensão e distribuição da variabilidade genética das espécies cultivadas e seus parentes silvestres. Noventa e quatro acessos foram selecionados após estudos morfológicos e descrições botânicas, dos quais 23 correspondem a 9 espécies novas putativas e outros são de espécies cultivadas e espécies silvestres já conhecidas: 3 de *C. dusenii*, 3 de *C. buforum*, 2 de *C. campylopodium*, 5 de *C. vilosum*, 1 de *C. parviflorum*, 2 de *C. flexuosum*, 2 de *C. baccatum* var. *pratermisum*, 19 de *C. annuum*, 12 de *C. baccatum*, 9 de *C. chinense* e 9 de *C. frutescens*. Quatro espécies diferentes foram utilizadas como grupo externo na análise: *Atropa belladonna*, *Lycopersicon esculentum*, *Physalis* sp e *Nicotina tabaccum*. Marcadores RAPD foram utilizados para a análise de similaridade genética entre os acessos, sendo que a matriz de similaridade foi feita baseada no coeficiente de Jaccard e a análise aglomerativa hierárquica, por UPGMA. Os acessos de cada uma das espécies cultivadas, *C. annuum*, *C. baccatum*, *C. chinense*, *C. frutescens* se agruparam conforme sua respectiva classificação. Os agrupamentos de *C. chinense* e *C. frutescens* ficaram mais próximos ao grupo de *C. annuum* do que os acessos de *C. baccatum*. As espécies silvestres formaram um grupo com aproximadamente 30% de similaridade com as espécies cultivadas. A classificação da maior parte dos acessos silvestres corroborou a classificação morfológica, como por exemplo, *C. flexuosum* que se mostrou a mais próxima das espécies cultivadas. A relação das demais espécies silvestres com as espécies cultivadas foi estimada.

¹ Biologia, graduando, UniCEUB, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia.

² Eng. Agr., graduando, UnB, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia.

³ Biologia, graduando, UnB, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia.

⁴ Química, graduando, UnB, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia.

⁵ Eng. Agr., M.Sc, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia.

⁶ Eng. Agr., Ph.D, Universidade Católica de Brasília

⁷ Téc. Laboratório, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia.

⁸ Eng. Agr., Ph.D, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia.