



## Resumo

### **ANÁLISE DE MATERNIDADE DA ESPÉCIE FLORESTAL HYMENAEA COURBARIL CONSERVADA NO BANCO DE GERMOPLASMA DA USP/RP UTILIZANDO MARCADORES MICROSSATÉLITES**

#### **Autores:**

Juliana Massimino Feres (1), Marcela Corbo Guidugli (1), Antônio Justino da Silva (2), Moacir Antônio Mestriner (1), Ana Yamaguishi Ciampi (3), Carlos Alberto Martinez y Huaman (4), Ana Lilia Alzate-Marin (1)

#### **Filiação:**

1. Faculdade de Medicina - USP Ribeirão Preto, SP, Brasil, 2. Prefeitura do Campus, Universidade de São Paulo (USP), Ribeirão Preto, SP, Brasil, 3. Laboratório de Genética Vegetal, EMBRAPA, Brasília, DF, Brasil, 4. Depto. Biologia, FFCLRP, USP, Ribeirão Preto, SP, Brasil

#### **Palavras Chave:**

Jatobá, SSR, reflorestamento

#### **Resumo:**

A expansão das fronteiras agrícolas em Ribeirão Preto (SP) tem causado constante desmatamento de áreas nativas, fazendo-se necessária a implantação de um Banco de Germoplasma no campus da USP/RP (BG/USP/RP), visando conservar ex-situ 44 espécies arbóreas originárias da Floresta Estacional Semidecidual da região. A avaliação e caracterização da variabilidade genética contida nos bancos de germoplasma contribuem para sua manutenção adequada e prevenção de possíveis perdas genéticas, com o estabelecimento de melhores áreas de coletas. Além disso, a correta identificação da origem das progênies conservadas garantirá reflorestamentos bem sucedidos, resultado da seleção de materiais de alta variabilidade genética. Entre as espécies conservadas no BG/USP/RP encontra-se o Jatobá (*Hymenaea courbaril* L.), árvore de importância ecológica e econômica seriamente ameaçada. O objetivo desse trabalho foi realizar análises de maternidade de 176 progênies de Jatobá conservadas no BG/USP/RP e derivadas de 88 matrizes localizadas entre as bacias dos rios Pardo e Mogi-Guaçu, utilizando marcadores moleculares microsatélites (SSR). O DNA foi extraído das amostras de folhas coletadas e amplificado com 6 primers SSR. A partir dos dados gerados foram estimados parâmetros genéticos de diversidade e feita a análise de parentesco com auxílio do programa Cervus 3.0. As análises dos seis locos SSR detectaram alto nível de polimorfismo (17,67 alelos/loco) e um PIC (0,80) altamente informativo. As frequências alélicas apresentaram valores intermediários, apontando esses marcadores como uma poderosa ferramenta molecular para análises de parentesco. A maternidade foi confirmada, com 95% de probabilidade, para 114 progênies (65%) e com 80% de probabilidade para 143 progênies (81%). Estes resultados mostram que a plantação destas progênies no BG/USP/RP foi feita com sucesso, já que a maioria das sementes de *H. courbaril* são de origem conhecida e detentoras de alta variabilidade genética. (FAPESP)