

Área: **Sistemática, Morfologia e Biogeografia**

IDENTIFICAÇÃO MOLECULAR DE LEPIDÓPTERAS DE INTERESSE AGRONÔMICO POR MEIO DE MARCADORES RAPD E MITOCONDRIAIS

Paulo Roberto Queiroz (*Embrapa*); **Érica Soares Martins** (*Embrapa*); **Luzia Helena Corrêa Lima** (*Embrapa*); **Rose Gomes Monnerat** (*Embrapa*)

Resumo

AS LARVAS DE LEPIDÓPTEROS ALÉM DE CAUSAREM DANOS ECONÔMICOS TAMBÉM SÃO AS PRINCIPAIS PRAGAS EM DETERMINADAS REGIÕES AGRÍCOLAS. ALÉM DISSO, SOMA-SE O POUCO CONHECIMENTO A RESPEITO DA COMPOSIÇÃO GENÉTICA DE SUAS POPULAÇÕES. DIANTE DESSAS INFORMAÇÕES, FAZ-SE NECESSÁRIO O DESENVOLVIMENTO DE TRABALHOS PARA SE ESTUDAR A VARIABILIDADE GENÉTICA DE ESPÉCIES DE LEPIDÓPTERAS, TAIS COMO, *Anticarsia gemmatalis*, *Plutella xylostela* E *Spodoptera frugiperda* POR MEIO DE MARCADORES MOLECULARES, UMA VEZ QUE, UM ASPECTO IMPORTANTE NO CONTROLE DE PRAGAS É O CONHECIMENTO DE SUAS CARACTERÍSTICAS FENOTÍPICAS E GENOTÍPICAS. O OBJETIVO DESSE TRABALHO FOI ANALISAR A VARIABILIDADE GENÉTICA ENTRE AS POPULAÇÕES DE LEPIDÓPTERAS UTILIZANDO-SE MARCADORES RAPD E MITOCONDRIAIS. A ANÁLISE DE RAPD INDICOU GRANDE VARIABILIDADE ENTRE AS ESPÉCIES E ENTRE OS INDIVÍDUOS DE UMA MESMA ESPÉCIE DE LEPIDÓPTERA. UTILIZANDO-SE A ANÁLISE DE DNAMT DO GENE NADH-DH FORAM OBTIDOS PADRÕES DIFERENCIADOS DE AMPLIFICAÇÃO ENTRE AS ESPÉCIES DE LEPIDÓPTERAS O QUE FOI TAMBÉM CONFIRMADO A PARTIR DA DIGESTÃO COM A ENZIMA *SspI*, INDICANDO UM PERFIL DE RESTRIÇÃO DIFERENCIADO PARA AS ESPÉCIES ANALISADAS. A AMPLIFICAÇÃO DA REGIÃO 16 S PRODUZIU UM FRAGMENTO DE DNA COMUM A TODAS AS POPULAÇÕES ANALISADAS. CONTUDO, A DIGESTÃO DESSA REGIÃO COM A ENZIMA *XbaI* INDICOU DIFERENÇAS ENTRE AS ESPÉCIES EM QUESTÃO. OS RESULTADOS OBTIDOS PERMITIRAM ELABORAR UMA CHAVE DE IDENTIFICAÇÃO DAS ESPÉCIES ANALISADAS POR MEIO DE PADRÕES MOLECULARES DE PCR-RFLP. ESSES CONHECIMENTOS PODERÃO AUXILIAR NO DESENVOLVIMENTO DE UM BANCO DE MARCADORES MOLECULARES PARA O MONITORAMENTO DAS ESPÉCIES EM CAMPO, COMO TAMBÉM, PARA A ELABORAÇÃO DE UM KIT DE IDENTIFICAÇÃO BASEADO EM DNA DE POPULAÇÕES DE LEPIDÓPTERAS DE INTERESSE AGRONÔMICO.

Palavras-chave: *Spodoptera*, DNA mitocondrial, NADH-DH, Região 16S., Marcadores moleculares