

CORRELAÇÃO FENOTÍPICA, HERDABILIDADE E AVANÇO GENÉTICO EM CULTIVARES DE CAUPI (*Vigna unguiculata* (L.) WALP.).

EARL EUGENE WATT¹ & JOÃO PRATAGIL PEREIRA DE ARAÚJO²

Alguns dos mais importantes caracteres a serem observados num programa de melhoramento são a produção e seus componentes (número de vagens por planta, número de sementes por vagem e peso de 100 sementes), bem como reação a doenças e pragas, ciclo, arquitetura da planta e comprimento da vagem.

A herdabilidade e a correlação fenotípica entre alguns caracteres, em caupi, tem sido reportadas na literatura desde 1969. A herança do peso de 100 sementes variou de 3,8 a 97,3%, com uma média de 66%, em 10 trabalhos revisados. tanto a herdabilidade quanto o avanço genético variaram com o ambiente e com a população amostrada.

Neste estudo calcularam-se os coeficientes de correlação fenotípica entre produção e os seus componentes, ciclo da planta e reação à virose. Estimaram-se também, para as mesmas características, a herdabilidade e o avanço genético, segundo a metodologia preconizada por ALLARD. Utilizaram-se dados de três ensaios; Avançado 1 - Ramador; Avançado 2 - Semi-Ramador e Avançado 3 - Erecto, cada um composto de 25 cultivares e linhagens, com 3 repetições. Os ensaios Avançados 1, 2 e 3 foram plantados em Goiânia, no Centro Nacional de Pesquisa de Arroz e Feijão (CNPAF), e, em Teresina, na Unidade de Execução de Pesquisa de Âmbito Estadual (UEPAE/Teresina), pelo Dr. Francisco Rodrigues Freire Filho. Na Empresa Pernambucana de Pesquisa Agropecuária (IPA), no Município de Serra Talhada-PE, foram conduzidos apenas os ensaios Avançados 1 e 2, pelo Dr. Paulo Roberto Fernandes de

¹Engº Agrº, Ph.D - Convênio IITA/EMBRAPA - CNPAF

²Engº Agrº, M.Sc Centro Nacional de Pesquisa de Arroz e Feijão (CNPAF) - EMBRAPA - Caixa Postal 179 - 74000 Goiânia, GO.

Brito.

A Tabela 1 apresenta as correlações fenotípicas da produção com os diversos caracteres. A produção de grãos correlacionou-se positiva e significativamente com o número de vagens por planta, nos ensaios de Goiânia, envolvendo os três tipos de crescimento. O grau de infecção de vírus correlacionou-se negativa e significativamente com a produção de grãos, no Avançado 1 de Goiânia e Teresina, Avançado 2 de Goiânia e Avançado 3 de Teresina. O peso de 100 sementes correlacionou-se negativamente com a produção e só foi significativo no Avançado 1 de Teresina. Tanto a floração inicial quanto a floração média correlacionaram-se negativa e significativamente com a produção, nos Avançados 1 e 3 de Goiânia e Teresina, e no Avançado 2 de Goiânia.

As estimativas de herdabilidade e avanço genético apresentadas na Tabela 1 dão apenas uma indicação das tendências e importância relativa do caráter, uma vez que os cálculos baseiam-se em dados relativos a somente um local, o que leva a superestimação destes parâmetros. A análise comparativa dos três tipos de crescimento não mostrou diferenças significativas, apresentando reações similares. Os valores de herdabilidade e avanço genético para produção indicam apenas ganhos moderados, se a seleção for feita nos locais dos ensaios.

Nos três ensaios conduzidos em Goiânia, o número de vagens/planta apresentou alta correlação com produção, herdabilidade moderadamente alta e alto avanço genético, evidenciando a importância deste caráter nos trabalhos de seleção para este local.

Das características estudadas, a reação à virose parece ser uma das mais importante, devido à sua correlação negativa com a produção e aos altos índices de avanço genético obtidos em Goiânia e Teresina.

TABELA 1. Análise da produção e seus componentes, ciclo da planta e reação à virose dos ensaios avançados de produção de Goiânia, Teresina e Serra Talhada - 1982.

| | Produção | Vagem/Planta | Semente/Vagem | Peso 100 Sementes | Comp. Vagem | Ciclo da Planta | | Virose |
|---------------------------------|----------|--------------|---------------|-------------------|-------------|-----------------|---------|------------------|
| | | | | | | FI | FM | |
| Avançado 1 Goiânia | | | | | | | | |
| Média | 759,7 | 11,8 | 13,8 | 13,8 | 17,0 | 50,9 | 59,7 | 5,7 ¹ |
| r/Produção | - | 0,82** | 0,43** | 0,004 | 0,01 | -0,32* | -0,35* | -0,67** |
| Teste F | 4,36* | 8,50* | 1,15 | 4,68** | 5,30** | 9,13** | 10,68** | 10,18** |
| Herdabilidade | 40 | 65 | 4 | 48 | 52 | 67 | 71 | 70 |
| Avanço Genet. | 26 | 25 | 1 | 9 | 6 | 5 | 5 | 28 |
| Avançado 1 Teresina | | | | | | | | |
| Média | 640 | - | 15,4 | 17,4 | 18,4 | 49 | 60 | 3,5 ² |
| r/Produção | - | - | NS | -0,35** | -0,35** | -0,53** | -0,58** | -0,33* |
| Teste F | 3,28* | - | 1,26 | 18,95** | 8,94** | 5,21** | 6,72** | 4,15* |
| Herdabilidade | 36 | - | 6 | 82 | 66 | 51 | 59 | 44 |
| Avanço Genet. | 18 | - | 1 | 10 | 10 | 5 | 7 | 36 |
| Avançado 1 Serra Talhada | | | | | | | | |
| Média | 821,9 | 5,36 | 12,7 | 21,8 | 18,2 | 40,1 | 46,5 | |
| r/Produção | - | | | | | | | |
| Teste F | 11,09 | 1,59 | 2,03* | 5,28** | 11,92** | 10,85** | 24,96** | |
| Herdabilidade | 2 | 13 | 21 | 52 | 73 | 71 | 86 | |
| Avanço Genet. | 1 | 6 | 4 | 7 | 9 | 5 | 4 | |
| A-2 GO | | | | | | | | |
| Média | 796,2 | 8,13 | 14,1 | 14,2 | 17,4 | 48,8 | 56,6 | 4,9 ¹ |
| r/Produção | - | 0,89** | -0,02 | 0,05 | -0,28* | -0,44** | -0,44** | -0,50** |
| Teste F | 6,91** | 5,80** | 3,42* | 10,04** | 23,32** | 9,77** | 14,66** | 7,34** |
| Herdabilidade | 60 | 55 | 38 | 69 | 85 | 69 | 77 | 61 |
| Avanço Genet. | 24 | 27 | 5 | 11 | 8 | 6 | 5 | 28 |
| A-2 TE | | | | | | | | |
| Média | 674 | - | 13,8 | 16,3 | 18 | 48 | 59 | 3,8 ² |
| r/Produção | - | - | NS | NS | NS | -NS | -0,23* | NS |
| Teste F | 1,54 | - | 0,69 | 11,23** | 10,53* | 2,96* | 7,14** | 3,05* |
| Herdabilidade | 12 | - | 0 | 72 | 70 | 33 | 61 | 34 |
| Avanço Genet. | 8 | - | 0 | 13 | 10 | 4 | 6 | 28 |
| A-2 ST | | | | | | | | |
| Média | 826,6 | 5,41 | 11,4 | 20,1 | 16,8 | 39,0 | 44,8 | |
| Teste F | 3,53* | 1,24 | 2,32* | 5,74** | 6,75** | 4,44** | 12,39** | |
| Herdabilidade | 39 | 6 | 25 | 54 | 59 | 46 | 74 | |
| Avanço Genet. | 15 | 2 | 6 | 9 | 9 | 4 | 6 | |
| A-3 GC | | | | | | | | |
| Média | 606,0 | 4,0 | 11,8 | 13,9 | 15,9 | 46 | 53 | 4,9 ¹ |
| r/Produção | - | 0,92** | 0,18 | 0,19 | 0,05 | -0,04 | -0,13 | -0,11 |
| Teste F | 3,16* | 2,31* | 4,00** | 3,07* | 7,24** | 5,62** | 6,72** | 4,12** |
| Herdabilidade | 35 | 25 | 43 | 34 | 61 | 54 | 59 | 44 |
| Avanço Genet. | 19 | 13 | 7 | 9 | 7 | 3 | 4 | 19 |
| A-3 TE | | | | | | | | |
| Média | 841 | - | 12,9 | 15,4 | 16 | 44 | 58 | 5,9 ² |
| r/Produção | - | - | 0,31* | NS | NS | -NS | -0,27* | -0,45** |
| Teste F | 1,61 | - | 3,66* | 3,82* | 5,45** | 1,40 | 1,75 | 2,67* |
| Herdabilidade | 13 | - | 40 | 41 | 53 | 9 | 16 | 29 |
| Avanço Genet. | 1 | - | 7 | 11 | 7 | 1 | 2 | 22 |

1 Vírus do Mosaico Severo do Caupi

2 Vírus transmitido por afídeos (*Potyvirus*) e vírus do Mosaico Severo do Caupi

* Significante ao nível de 5% de probabilidade

** Significante ao nível de 1% de probabilidade