

**MEL-044**

**Reação de genótipos de arroz de terras altas às principais doenças em Formoso do Araguaia no Tocantins.** Castro Neto MD, Santos GR, Dias Neto JJ, Rangel PHN, Silva LMA, Ribeiro FF. Mestrado em Produção Vegetal, Agronomia, UFT, Gurupi, TO, Brasil. E-mail: manoldelintro@uft.edu.br. Diseases genotypes reaction of high lands Rice at Formoso do Araguaia, Tocantins state, Brazil.

Vários fatores podem afetar a lavoura de arroz, entre eles, as doenças são motivos de grande preocupação para os produtores, pois diminuem a produtividade e afetam a qualidade dos grãos. O presente trabalho teve como objetivo avaliar a reação de genótipos de arroz terras de altas às principais doenças, em condições de campo. O ensaio foi instalado em blocos casualizado com 10 tratamento e 4 repetições. As avaliações foram realizadas quanto à severidade de brusone foliar, mancha parda, mancha-dos-grãos e escaudadura, incidência de brusone na panícula e produtividade. Houve variabilidade na resistência dos genótipos. Todos os genótipos testados mostraram-se resistentes à mancha parda, mancha dos grãos e escaudadura. Os genótipos avaliados obtiveram notas de severidade menores que 3, com relação à brusone das folhas, sendo considerados como resistentes, exceto a cultivar primavera que foi considerada suscetível. As maiores produtividades foram obtidas nas linhagens BRA032033 e BRA032051, ambas, com baixa incidência de doenças.

**MEL-045**

**Caracterização de variedades de cana-de-açúcar quanto à resistência e tolerância ao raquitismo-da-soqueira.** Lima RMP, Carneiro JB, Silveira SF, Gama MC, Pereira MG. LEF, UENF, Campos dos Goytacazes, RJ, Brasil. E-mail: rozalim24@yahoo.com.br. Characterization of the resistance and tolerance of sugarcane cultivars to Ratoon Stunting Disease.

Foram caracterizadas variedades de cana (RB 911049, 92579, 855453, 858927, 835486, 931530, 855113, 918639, 72454, 855511, 858539, 845210, 867515, 93509, 872552 e SP 71-1406, 80-1816, 80-1842, 81-3250, 83-2847) quanto à resistência/tolerância a doença, em região canavieira do norte do ES. O experimento foi montado em DBC com 3 repetições em parcelas subdivididas em faixas (material propagativo submetido ou não a termoterapia - 50°C/2h). Os colmos foram obtidos de áreas comerciais com alta incidência de RSD. Além da produtividade avaliou-se a incidência (%) de colmos soro-positivos para a presença do patógeno (dot blot). Os déficits hídricos acentuados nos anos de 2006 e 2007 aliados as altas incidências de RSD resultaram em baixas produtividades (<60 TCH). Nenhuma variedade foi considerada resistente, porque a incidência de colmos infectados previamente foi em geral alta (>40%). RB 867515 e RB 92579 apresentaram maiores valores de TCH na segunda soca, mesmo com alta incidência de RSD (>80%), sendo tolerantes. SP 71-1406 apresentou alta incidência (80%) de RSD e foi a que obteve menor valor de TCH na 2ª. soca, sendo intolerante. As outras variedades foram consideradas suscetíveis e pouco tolerantes. RB 835486, SP 71-1406 e RB 867515 foram responsivas ao tratamento térmico, mesmo sendo este ineficiente em reduzir a incidência do RSD.

**MEL-046**

**Reação de genótipos e híbridos de mamoeiro à Pinta-Preta, causada por *Asperisporium caricae*.** Vivas M<sup>1</sup>, Terra CEPS<sup>1</sup>, Silveira SF<sup>1</sup>, Pereira MG<sup>2</sup>, Pereira TNS<sup>2</sup>. <sup>1</sup>LEF/CCTA/UENF; <sup>2</sup>LMGV/CCTA/UENF, Campos dos Goytacazes, RJ. E-mail: mrcvlivas@hotmail.com. Reaction of papaya genotypes and hybrids to black-spot, caused by *Asperisporium caricae*.

A Pinta-Preta (PP) do mamoeiro reduz a produção por atacar severamente as folhas e por favorecer a podridão de frutos em pós-colheita. Visando caracterizar genótipos e híbridos de mamoeiro quanto à resistência a PP, foram conduzidos dois experimentos em blocos ao acaso com 2 repetições, na empresa Caliman Agrícola S/A, em Linhares-ES. Avaliou-se a incidência e a severidade da doença em folhas de 51 genótipos e 68 híbridos. Os genótipos que apresentaram menores médias de severidade da PP foram STZ 03, Santa Helena III 1504, Goldem (tipo formosa), Sunrise Solo (prog. Tainung), Maradol (Scott-Knott,  $\alpha=0,05$ ). Já, para incidência de folhas doentes, as menores médias ocorreram em Baixinho de Santa Amália, Waimanalo, Tailândia, Kapoho Solo (polpa amarela) e Maradol. Os híbridos com menores médias de incidência de folhas doentes foram 'Americano x Waimanalo', 'Americano x Caliman AM', 'Maradol x Triwan et' e 'JS 12 x Caliman M5'. Para a severidade, as menores médias foram para 'Americano x Waimanalo', 'Sunrise Solo 72/12 x Mamão Roxo', 'Sunrise Solo 72/12 x Americano', 'Maradol x Triwan et' e 'Americano x Grampola'. Inoculações sob condições controladas deverão confirmar ou não a resistência verificada a campo. Os resultados orientarão o melhoramento voltado para a resistência a PP na cultura do mamoeiro.

**MEL-047**

**Caracterização da resistência ao *Cowpea severe mosaic virus* e seleção de marcadores ISSR para mapeamento genético de uma população F6 de feijão-caupi.** Amorim LLB<sup>1</sup>, Onofre AVC<sup>1</sup>, Andrade GP<sup>2</sup>, Pio-Ribeiro G<sup>2</sup>, Kido EA<sup>1</sup>, Benko-Iseppon AM<sup>1</sup>. <sup>1</sup>Departamento de Genética, UFPE, Recife, PE; <sup>2</sup>UFRPE, Recife-PE. E-mail: lidiane.amorim@gmail.com. Resistance characterization to *Cowpea severe mosaic virus* and ISSR markers selection to genetic mapping of the cowpea F6 population.

Uma população composta de 368 linhas endogâmicas recombinantes (parentais BR14 Mulato e IT85F 2687) segregando para resistência ao vírus do mosaico severo do caupi (*Cowpea severe mosaic virus*, CPSMV) foi avaliada. Um isolado do CPSMV foi inoculado mecanicamente nos parentais e em 147 indivíduos da geração F7 via extrato vegetal tamponado, utilizando-se Celite e Carborundum como abrasivos. Cada linhagem foi avaliada com 2 a 4 repetições, observando-se visualmente um total de 489 plantas. Das linhagens avaliadas, 83 apresentaram lesões locais necróticas, mosaico e deformações foliares intensas e 64 foram assintomáticas. Todas as plantas assintomáticas foram testadas por dupla difusão em ágar com anti-soro contra CPSMV e apresentaram resultados negativos. Para as análises de mapeamento, foram testados 30 primers nos parentais sendo selecionados os 12 primers mais polimórficos, gerando uma média de cinco bandas polimórficas. Apenas 29% dos primers foram monomórficos. Os marcadores ISSR polimórficos entre os parentais serão genotipados em uma população F6 usando-se a Análise Segregante de Bulks visando ao desenvolvimento de marcadores ligados à região de resistência ao CPSMV. Apoio Financeiro: CAPES, CNPq, RENORBIO/BNB.