

[Apresentação](#)[Ficha Catalográfica](#)[Programa](#)[Lista de Autores](#)[Lista de Trabalhos](#)[Agradecimentos](#)

001

DEFINIÇÃO DE SISTEMA ENZIMÁTICO PARA CARACTERIZAÇÃO GENÉTICA DE *Ocotea porosa* (Nees & C. Mart.) Barroso – LAURACEAE ¹

Tiago Luiz Daros ²Valderês Aparecida de Sousa ³Antonio Nascim Kalil Filho ³Renato Goldenberg ⁴

A imbuia (*Ocotea porosa*) foi amplamente explorada, especialmente pela qualidade de sua madeira, empregada para a carpintaria, marcenaria e movelaria. Como consequência, essa espécie tem sofrido um processo de erosão genética contínuo. A imbuia ocorre naturalmente na Floresta Ombrófila Mista (Floresta com Araucária) e encontra-se na lista oficial de espécies da flora brasileira ameaçadas de extinção. A caracterização genética é um processo importante para a definição de estratégias que orientem trabalhos de conservação e melhoramento de espécies ameaçadas de extinção, pois envolve os padrões de variação genética e os sistemas de cruzamentos dentro e entre populações, dentre outros parâmetros. Apesar da importância econômica da imbuia, os estudos genéticos são praticamente desconhecidos. Por isso, este trabalho visa estudar o sistema reprodutivo e caracterizar geneticamente a imbuia, através de marcadores isoenzimáticos, fornecendo informações essenciais para a utilização econômica, o manejo sustentado e a conservação dessa espécie. Para a avaliação genética através de isoenzimas é necessária a definição dos sistemas enzimáticos mais adequados a cada espécie. Neste trabalho foram testados 19 sistemas enzimáticos em 6 diferentes sistemas de gel-eletrodo, sendo selecionados no sistema Tris-Citrato as enzimas MDH, IDH e 6-PGDH, e no sistema Lítio-Borato GOT e PGM, com base na atividade e resolução enzimática, além de sua variabilidade. Após a interpretação dos zimogramas e fenotipagem da população estudada (30 indivíduos escolhidos aleatoriamente no município de Colombo - PR) e de suas progênes (30 plantas/indivíduo), os dados obtidos serão analisados através de programas de análise estatística para a estimativa dos parâmetros genéticos.

¹ Parte da dissertação em desenvolvimento na *Embrapa Florestas*

² Mestrando do curso de Botânica, Universidade Federal do Paraná

³ Pesquisadora da Embrapa Florestas, valderes@cnpf.embrapa.br

⁴ Professor da Universidade Federal do Paraná

