

021

MEDIDAS DE VARIAÇÃO GENÉTICA EM POPULAÇÃO NATURAL DE *Araucaria angustifolia* (Bert) O. Ktze PROCEDENTE DE CAMANDUCAIA-MG¹Gláucia Margery Hoffmann²Valderês Aparecida de Sousa³

A *Araucaria angustifolia* (Pinheiro-do-Paraná) é uma espécie de grande importância econômica e foi intensamente explorada, devido a sua ampla aplicação, que vai desde o uso de sua madeira até o aproveitamento de suas sementes, a ponto de hoje ser incluída na lista de espécies ameaçadas de extinção. As Florestas com Araucária ocupam as maiores áreas na Região Sul do Brasil, estando presente em pequena proporção nos estados do Sudeste, em pequenas populações e relictos, tornando urgente a necessidade de conservar geneticamente os remanescentes. O objetivo do presente trabalho concentrou-se na obtenção de parâmetros genéticos visando ao entendimento da estrutura da população natural de Camanducaia, MG, para a conservação genética. Os dados foram obtidos por análise isoenzimática (eletroforese de gel de amido horizontal) de endosperma e embrião para oito sementes de 25 árvores, avaliando seis locos gênicos validados, por meio de estudos de herança e *linkage* (*GOT-B*, *GOT-C*, *PGM-A*, *6PGDH-B*, *SKDH-B* e *MDH-B*), utilizando os sistemas lítio borato pH 8,1 e tris citrato pH 7,4. Os alelos e locos, identificados nos géis, após as colorações específicas, foram analisados utilizando o programa GSED para a obtenção dos parâmetros de frequência alélica (p e q), diversidade (v) e diferenciação total (δ_T). Observou-se que o padrão de variação de frequência alélica dos embriões (progênie) foi mais variável que da população, embora os alelos mais freqüentes sejam comuns para ambos. Alguns alelos foram identificados no embrião, mas não na população original, tais como o alelo 3 do *GOT-B* e o alelo 1 do *GOT-C*. Nos padrões de diversidade e diferenciação alélica, *GOT-B* e *6PGDH-B* mostraram maiores valores, enquanto em *GOT-C* verificou-se os menores valores. Em função das medidas de variação dentro da população de *Araucaria angustifolia* procedente de Camanducaia, os locos mais variáveis foram *GOT-B* e *6PGDH-B*. Os parâmetros genéticos obtidos neste trabalho, quando comparados aos de outras populações, permitem uma melhor orientação para a conservação de remanescentes dessa espécie.

¹Trabalho desenvolvido na *Embrapa de Florestas*.² Aluna do Curso de Ciências Biológicas, Universidade Tuiuti do Paraná.³ Pesquisadora da *Embrapa Florestas*, valderes@cnpf.embrapa.br