



## AVALIAÇÃO DE GENÓTIPOS DE MILHO NO ECOSISTEMA DE TERRA FIRME NO ESTADO DO PARÁ.

Souza, F.R. S. de<sup>1</sup>

Os sistemas de produção de milho atualmente em uso na Amazônia Oriental, no ecossistema de terra firme do Estado do Pará, tem apresentado baixas produtividades. Este trabalho objetivou identificar, avaliar e selecionar genótipos superiores, a fim de promover o aumento da estabilidade e sustentabilidade da produção de milho. Foram conduzidos em 1994 e 1995, quatro ensaios regionais, sendo dois no município de Capitão Poço e dois em Alenquer. Em 1994 e 1995, o delineamento experimental utilizado foi o de blocos casualizados com 4 e 5 repetições e 16 e 10 tratamentos (cultivares e híbridos), respectivamente. Em 1995 o delineamento foi blocos ao acaso, com cinco repetições e dez cultivares (variedades e híbridos). Em 1994, as cultivares mais promissoras com relação a produção de espigas despalhadas, em Capitão Poço, foram: BR 5102 (2,77 t/ha), Cargill 125 (2,59 t/ha), BR 205 (2,51 t/ha), AG 302 (2,23 t/ha) e BR 5107 (2,22 t/ha). A media geral foi 1,97 t/ha. Em Alenquer, onde as condições edafoclimáticas são mais favoráveis, as cultivares evidenciaram maior responsividade destacando: Cargill 125 (6,16 t/ha), AG 302 (5,88 t/ha), BR 5109 (5,75 t/ha), BR 201 (5,64), BR 106 (5,54 t/ha) e BR 5107 (5,22 t/ha). A media geral do ensaio foi 4,35 t/ha. Neste ano, tanto em Capitão Poço como em Alenquer a cultivar CMS 39 foi a que apresentou o menor desempenho. Em 1995, em Capitão Poço, as cultivares mais promissoras para local e ano, com relação à produção de espigas despalhadas, foram: CMS 39 (6,01 t/ha), BR 5102 (5,99), CMS 59 (5,76 t/ha) e CMS 50 (5,65 t/ha). A média geral do ensaio foi 5,31 t/ha e um cv% de 9,42. Em Alenquer, as cultivares mais promissoras para o local e ano foram: CMS 50 (5,43 t/ha) BR 5102 (5,67 t/ha), CMS 59 (5,49 t/ha) e CMS 50 (5,43 t/ha). A média geral foi 5,22 t/ha e um cv% de 12,41.

<sup>1</sup>Pesquisador EMBRAPA/CPATU, Caixa Postal 48, Belém-PA, 66095-100.

Revisores: F.O.M.Durães (EMBRAPA/CNPMS).e E.E.G. Gama (EMBRAPA/CNPMS)