

01.013 - DÍPTEROS CALLIPHORIDAE CAPTURADOS NA  
CIDADE DE CAMPO GRANDE MS.

Luiz, H. L.<sup>1</sup>; Graciolli, G.<sup>1</sup>; Paiva, F.<sup>2</sup> - <sup>1</sup>UFMS - Patologia; <sup>2</sup>UFMS -  
Patologia; <sup>1</sup>UFMS Biologia

Os dípteros da família Calliphoridae são organismos com potencial para veiculação de patógenos, atuando também como agentes mecânicos e causadores de miases no homem e em animais. Frente a esta importância médico-veterinária e econômica, objetivou-se estudar sua sinantropia e a diversidade das espécies na cidade de Campo Grande, MS. Empregou-se armadilha descrita por FERREIRA (1978) modificada, utilizando fezes de cães; montadas em dois ambientes distintos: mata e área aberta do campus da Universidade Federal de Mato Grosso do Sul. Após a identificação dos espécimes capturados, constatou-se que 26,48 % eram da família Calliphoridae; destas, 50,75% eram *Chrysomya megacephala* (Fabricius); 26,12% *Calliphora lopezi* Robineau-Desvoidy; 12,69% *Hemilucilia semidiaphana* (Rondani); 4,48% *Chrysomya albiceps* (Wiedemann); 2,98% *Lucilia cuprina* (Wiedemann); 1,5% *Chloroprocta idiodea* (Robineau-Desvoidy); 0,75% *Lucilia sericata* (Meigen) e 0,75% *Cochliomyia hominivorax* (Coquerel). Frente a estes resultados, as pesquisas serão direcionadas para estudos dos índices de sinantropia destas e outras espécies de dípteros calíptros. \* heraluana@bol.com.br

01.014 - GENOTYPE CHARACTERIZATION OF THE  
*Haematobia irritans* (DIPTERA: MUSCIDAE) FROM BRAZIL,  
DOMINICAN REPUBLIC AND COLOMBIA BASED ON  
RANDOMLY AMPLIFIED POLYMORPHIC DNA (RAPD)  
ANALYSIS

Brito, L. G.<sup>1</sup>; Regitano, L. C. A.<sup>2</sup>; Oliveira, M. C. S.<sup>3</sup>; Huacca, M. E.  
F.<sup>4</sup>; Moya Borja, G. E.<sup>5</sup> - <sup>1</sup>EMBRAPA Rondônia - Setor Técnico  
Científico; <sup>2</sup>EMBRAPA Pecuária Sudeste - Setor Técnico Científico;  
<sup>3</sup>EMBRAPA Pecuária Sudeste - Setor Técnico Científico; <sup>4</sup>USP - Inst  
Química de São Carlos; <sup>5</sup>UFRRJ - Parasitologia Animal

*Haematobia irritans* is an economically important obligate blood feeding ectoparasite of cattle. Parasitism of cattle by an economic level of horn flies can result in reduced weight gain as a result of decreased feed efficiency, and decreased milk production. In addition, diminished leather quality can result from intense horn fly feeding. The abundance of genotypes within and among populations involves two different, but related components: demographic and genetic structure. Demographic structure refers to processes influencing the number and distribution of phenotypical classes of individuals. The genetic structure which can be described as the genetic variation distribution resulting from the action of factors such as migration, selection, mutation and genetic derive. In this study, the randomly amplified polymorphic DNA (RAPD) technique was used to analyze genetic variability of populations of horn fly from Brazil, Dominican Republic and Colombia, to evaluate the genotypic similarity of the populations studied and also to get a RAPD marker able to identifying the geographical origin of each of those populations. The hierarchical group analysis shows that Colombia population was more distant from the others, presenting zero similarity with the others, while the closest populations were Brazil and Dominican Republic with 0.250 similarity. This value leads to the conclusion that Brazil and Dominican Republic populations share approximately 25% of nucleotide sequences complementary to the selected primers, which promotes the genotype distinction among Brazilian, Colombia and Dominican Republic population from different geographical origins. The primer that best characterized the different American's populations of *H. irritans* was Oph19, once it generated a single genotype pattern for each one of the populations studied, being the best molecular weight marker to distinct the geographic origin of the samples. \* luciana@cpafro.embrapa.br Apoio Financeiro: CAPES

01.015 - ESTRATÉGIAS DE CONTROLE PARA *Boophilus microplus* NO ESTADO DE RONDÔNIA: RESULTADOS PRELIMINARES

Brito, L. G.<sup>1</sup>; Silva Netto, F. G.<sup>1</sup>; Barbieri, F. S.<sup>2</sup>; Sallet, L. I.  
<sup>1</sup>EMBRAPA Rondônia - Setor Técnico Científico; <sup>2</sup>USP -  
Ciências Biomédicas 5

*Boophilus microplus* encontra-se disperso nas diferentes regiões do globo terrestre localizadas entre os paralelos 32° Norte e 32° Sul, na atualidade um dos principais parasitas que afetam a pecuária nessas áreas. Pesquisas sobre a bio-ecologia de *B. microplus* realizados no Brasil, principalmente nas regiões Sul e Sudeste, que até o momento não se dispõem de estratégias de controle para direcionadas à Região Amazônica, o que dificulta o controle de *B. microplus* na região, uma vez que as características predominantes propiciam condições adequadas ao seu desenvolvimento durante todo o ano. Dados referentes às infestações por *B. microplus* foram coletadas no Campo Experimental da Embrapa, localizado a 96,3 m de altitude, 8°46' de latitude sul e 63°5' de longitude oeste durante o período de setembro de 2004 a abril de 2005, observou-se a presença de infestação por carrapatos durante todos os meses. O plantel de animais destinados à exploração leiteira é composto por 120 animais criados em sistema de pastejo rotacionado. Em dezembro de 2005, os animais apresentavam infestação média de 236 teleóginas/animal no momento em que foi implantado o tratamento emergencial de *B. microplus*, o qual utilizou duas bases farmacológicas: Eprinomectina (0,5%) utilizada em animais em lactação e Ivermectina (1%), aplicado em animais não lactantes. Os animais em lactação transferidos para uma nova área de pastejo rotacionado livre de infestantes de *B. microplus* e o sistema anteriormente utilizado em animais em lactação foi ocupado por aqueles tratados com Ivermectina, quais promoveram a limpeza nas pastagens das larvas imaturas. Foram realizados cinco ciclos de tratamentos, com intervalo de 15 dias entre os mesmos, onde ao final do tratamento os animais apresentavam uma infestação média de 12 teleóginas/animal. Ap. Financ. Embrapa

Genotype characterization of  
2006 SP-2006.00123



16501-1

PROCI-2006.00123  
BRI  
2006  
SP-2006.00123