

II - SIMPÓSIO BRASILEIRO DE RECURSOS GENÉTICOS



COLEÇÃO DE MICRORGANISMOS PATOGENICOS DA EMBRAPA AGROINDÚSTRIA TROPICAL

Terezinha Feitosa¹; Maria de Fátima Borges¹; Ana Paula Colares de Andrade¹;
Bruna Castro Porto¹; Cívita Teixeira de Sousa¹ Glaubenia Temoteo Bento¹

¹Embrapa Agroindústria Tropical tele@cnpat.embrapa.br, Fátima@cnpat.embrapa.br, apcol@ig.com.br, bruna-cporto@yahoo.com.br, civitatsou@ig.com.br, beninha10@yahoo.com.br

Palavras-chave: *Salmonella*, *Staphylococcus aureus*, Queijo Coalho.

Os isolados bacterianos que compõem a coleção de microrganismos patogênicos da Embrapa Agroindústria Tropical são oriundos do queijo de Coalho produzido no estado do Ceará. Um total de 640 amostras de queijo Coalho, artesanais e industriais, provenientes de 16 laticínios foi avaliado com o objetivo de isolar, identificar, caracterizar e definir a prevalência dos patógenos bacterianos contaminantes. As amostras foram adquiridas no comércio varejista de Fortaleza-CE e submetidas à pesquisa microbiológica com ênfase em *Listeria monocytogenes*, *Salmonella* sp. e *Staphylococcus aureus*. Os resultados revelaram *S. aureus* e *Salmonella* sp. em números extremamente altos, numa frequência de 54,1% (346/640) e 21,3% (136/640), respectivamente, enquanto que a presença de *L. monocytogenes* não foi detectada em nenhuma amostra. De cada amostra positiva para os microrganismos estudados, isolaram-se cinco colônias características a partir dos meios seletivos diferenciais, as quais foram submetidas às provas bioquímicas específicas. As culturas suspeitas de *S. aureus* foram avaliadas quanto à produção de catalase, capacidade de coagulação do plasma de coelho e coloração de Gram. Para identificação de *Salmonella* sp. colônias típicas foram submetidas às provas de fermentação de açúcares, descarboxilação da lisina, produção de H₂S e teste sorológicos. As colônias confirmadas através dessas provas foram transferidas para caldo BHI adicionado de 20% de glicerol e estão sendo mantidas a - 80°C, para posterior caracterização molecular e estudo de filogenia. Atualmente a coleção contém 1.757 isolados, sendo 1.215 (69%) de *S. aureus* e 542 (31%) de *Salmonella* sp.

Fontes financiadoras: CNPq, EMBRAPA

II SIMPÓSIO BRASILEIRO DE RECURSOS GENÉTICOS

25 a 28 de novembro de 2008
Hotel Nacional
Brasília-DF

ANAIS

Organização Administrativa
Fundação de Apoio à Pesquisa Científica e Tecnológica - FUNCREDI
Organização Técnica
Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia