

Seleção de descritores e agrupamento de acessos de *Paspalum* (Graminea (Poaceae))
através de técnicas multivariadas

Elizabeth Strapasson

Renata Totti¹

Roland Vencovsky²

Luiz Alberto Rocha Batista³

¹ Departamento de Matemática Aplicada da Universidade Estadual de Londrina, Caixa Postal 6001 Campus Universitário, CEP 86051-990, FAX (043) 371-4216 - Londrina-PR.

² ESALQ-USP, Departamento de Genética - Piracicaba-SP.

³ Pesquisador do Centro de Pesquisa de Pecuária do Sudeste- CPPSE-EMBRAPA - São Carlos-SP.

RESUMO - Este estudo visou a obtenção de conhecimentos básicos para o melhoramento genético das espécies do gênero *Paspalum*, devido a seu elevado potencial forrageiro. Foram avaliados 15 descritores reprodutivos, 22 vegetativos e 21 agrônômicos de acessos das espécies *Paspalum guenoarum* e *Paspalum plicatulum*, cujo objetivo foi descartar aqueles considerados redundantes ou não discriminantes. As técnicas estatísticas utilizadas foram Análise de Componentes Principais e Análise de Agrupamento. O conjunto de descritores selecionados: PR (pilosidade do rácemo), CE (comprimento do escapo), EFL (época de florescimento), DIPB (distribuição dos pêlos nas bainhas), CMB (comprimento médio da bainha), LMBASE (largura média da base da bainha), PORMSANO (porcentagem média de matéria seca - avaliação anual) e DIVERAO (porcentagem média de digestibilidade "in vitro" - avaliação verão), demonstrou-se eficiente para quantificar as similaridades e permitiu a melhor discriminação entre as duas espécies através da representação do dendrograma. Houve um descarte de 86% do total de descritores utilizados na caracterização dos acessos, evidenciando a necessidade de não se trabalhar com um número excessivo de descritores com este tipo de material. Dentre os métodos de agrupamento utilizados o que produziu um agrupamento mais coerente com os resultados esperados, foi o da ligação média não ponderada (UPGMA).

8693