

USO DE MARCADORES RAPD NO ESTUDO DA DIVERSIDADE GENÉTICA DE CULTIVARES DE SORGO (*Sorghum bicolor* (L.) MOENCH) *

Vasconcelos, M.J.V¹.: Antunes, M.S². & Santos, F.G¹.

Nos programas de melhoramento genético usam-se análises fenotípicas para evidenciar variabilidade genética entre indivíduos. Nos últimos anos têm-se utilizado marcadores como isoenzimas, RFLP e Microssatélites para estudar a distância genética entre cultivares de várias espécies vegetais. Neste trabalho propõe-se o uso de marcadores moleculares do tipo RAPD ("Random Amplified Polymorphic DNA") como ferramenta na caracterização de linhagens de sorgo e seleção de possíveis progenitores. Foram selecionados pelo Programa de Melhoramento do CNPMS 20 cultivares entre variedades, linhagens e híbridos comerciais, para um estudo inicial. O DNA total de folhas desses materiais foi purificado e amplificado utilizando-se iniciadores de sequência aleatória, onde as reações de amplificação consistiram de 40 ciclos de desnaturação a 94° C por 15 seg, pareamento a 35° C por 30 seg, alongamento a 72° C por 1 min e uma etapa de 7 min a 72° C para o alongamento final. Os dados obtidos mostraram um alto grau de polimorfismo entre os cultivares estudados. Estes dados foram utilizados para a determinação da distância genética entre os genótipos, sua separação em grupos ("Clusters") e em análise multivariada.

* Apoio Financeiro: EMBRAPA

¹ Pesquisadores do CNPMS

² Bolsista de DTI CNPq/Rhae

Revisores: S. N. Parentoni (CNPMS/EMBRAPA)
C. R. Casela (CNPMS/EMBRAPA)