

ESTIMATIVA DE PARÂMETROS GENÉTICOS E FENOTÍPICOS NAS POPULAÇÕES DE MILHO CMS 14 E CMS 03, DE CICLO PRECOCE, UTILIZANDO-SE PROGÊNIES S₁.

GAMA, E.E.G.¹; Santos, M. X.¹; Parentoni, S.N.¹; Guimarães, P.E.O.¹; Lopes, M.A.¹; Correa, L.A.¹ e Silva, A.E.¹.

As estimativas de parâmetros genéticos foram obtidas em duas populações de milho CMS 14 e CMS 03 no ano agrícola 95/96, utilizando-se, respectivamente, 400 e 269 progênies S₁, correspondentes ao primeiro ciclo de seleção recorrente. O delineamento experimental utilizado foi o de látice 10 x 10 e 13 x 13, respectivamente, com 2 repetições. Os ensaios foram instalados na área experimental do Centro Nacional de Pesquisa de Milho e Sorgo. Foram estimadas, para o caracter peso de espigas, a variância genética aditiva (σ_A^2), a herdabilidade ao nível de média de progênies S₁ (h^2), o índice de variação (b), o progresso esperado (Gs). Foram obtidos valores para σ_A^2 , h^2 , b e Gs de 308,22 ± 54,29, 78,55 ± 3,47, 1,36 e 27,29 respectivamente, na população CMS 14 e 223,76 ± 48,50, 55,51 ± 5,68, 0,79 e 19,56 respectivamente, na população CMS 03. As médias de produção variaram de 5100 a 980 kg/ha e 5700 a 1280kg/ha respectivamente para CMS 14 e CMS 03. Estes resultados indicam o bom potencial destas populações para uso em programas de melhoramento para obtenção de linhagens.

¹Pesquisadores da EMBRAPA/CNPMS, Caixa Postal 151, Sete Lagoas-MG, 35701 970.

Revisores: C.R. Casela (EMBRAPA/CNPMS) e F.G. Santos (EMBRAPA/CNPMS).