

SELEÇÃO DE PROGÊNIES ENDOGÂMICAS S<sub>1</sub> DA POPULAÇÃO DE MILHO CMS 52 DE CICLO SUPERPRECOCE PARA PRODUÇÃO DE GRÃOS.

Gama, E.E.G.<sup>1</sup>; Parentoni, S.N.<sup>1</sup>; Lopes, M.A.<sup>1</sup>; Santos, M.X.<sup>1</sup>; Guimarães, P.E.O.<sup>1</sup>; Leite, C.E.P.<sup>2</sup> e Pacheco, C.A.P.<sup>1</sup>

O objetivo do trabalho foi o de selecionar progênies S<sub>1</sub> para formação de sintético de base estreita, adaptado a plantios em alta densidade de plantas, para ser usado como fonte de extração de linhagens para formação de híbridos simples. A população CMS 52 foi sintetizada a partir da recombinação de 20 progênies S<sub>3</sub>, selecionados de uma população QPM de grãos amarelos e ciclo precoce. Na área experimental do CNPMS foram avaliadas 200 progênies S<sub>2</sub> utilizando-se 2 látices 10 x 10 com 2 repetições por ensaio, com parcelas de uma fileira de 5m, espaçadas de 80cm e 15cm entre plantas. Foram avaliadas, principalmente, as características: peso de espigas (PE), espigas doentes (PED) e prolificidade (Pr). As progênies selecionadas foram, em média, 33.55% mais produtivas, 17.12% mais prolíficas e apresentaram 102.44% menos PEQ que a média das progênies dos ensaios. O coeficiente de herdabilidade (h<sup>2</sup>) no sentido restrito ao nível de famílias S<sub>2</sub>, foi de 49.64 ± 6,89. A testemunha intercalar utilizada foi uma linhagem elite do programa que teve o comportamento esperado em relação às progênies S<sub>2</sub>. Concluiu-se que a população CMS 52 apresenta variabilidade para características de interesse, com potencial genético para programas de melhoramento.

<sup>1</sup>Pesquisadores da EMBRAPA/CNPMS, Caixa Postal 151, Sete Lagoas-MG, 35701 970.

<sup>2</sup>Pesquisador da EMBRAPA/CNPMS, Campo Experimental de Porteirinha/Janaúba km 35, Porteirinha-MG, 39250-000.

Revisores: A.C. Oliveira (EMBRAPA/CNPMS) e F.O.M. Duraes (EMBRAPA/CNPMS).