

MAPEAMENTO DE QTLs PARA CARACTERES DO FEIJOEIRO POR MEIO DE MICROSSATÉLITES. Flavia F. Teixeira; João B. dos Santos; Magno A. P. Ramalho; Ângela de F. B. Abreu; Israel A. Pereira Filho; Cláudia T. Guimarães; Antonio C. de Oliveira. Universidade Federal de Lavras. E-mail.: [flavia@cnpms.embrapa.br](mailto:flavia@cnpms.embrapa.br)

A identificação de QTLs é o passo inicial para aplicação da seleção assistida por marcadores moleculares no melhoramento. O feijoeiro conta com mapa molecular de boa saturação, QTLs e, recentemente, marcadores SSR, visando identificar QTLs associados ao peso de 100 sementes (p100), porte da planta (pp), produtividade de grãos (pg), reação à mancha angular (rma) e ao oídio (ro) em feijão usando marcadores SSR. Foram empregadas famílias derivadas de F<sub>2</sub> do cruzamento das cultivares Jalo EEP 558 e Small White. Essas famílias foram avaliadas em Lavras, Lambari e Sete Lagoas. Para a genotipagem foram usados 105 primers SSR. As famílias segregantes apresentaram diferenças significativas para os caracteres avaliados, sendo que os genitores foram altamente divergentes para o p100 e rma. O efeito do ambiente influenciou a expressão dos caracteres p100, pg, rma e pp, assim como a interação genótipos por ambientes, exceto para o pp. A decomposição da interação mostrou o predomínio da porção complexa da interação, embora para o p100 e rma tenham sido obtidas estimativas das correlações de Pearson e Spearman com valores intermediários. A rma foi correlacionada inversamente com o p100 e, diretamente com o pp. O mapa obtido tem 400 cM e 24 marcadores dispostos em 8 grupos de ligação. Foram identificados QTLs associados ao p100, pg, rma e pp; destes, os mais estáveis e associados a maiores percentuais da variação fenotípica foram os associados ao p100 e à rma. Destacam-se os marcadores: BM152 e BM210 associados ao p100, X80051 associado à pg e BM210 e BM146 associados à rma.