

VALIDAÇÃO E VALORAÇÃO DA COLEÇÃO NÚCLEO DE MILHO, SUBGRUPO ENDOSPERMA DURO

Netto, D.A.M.¹, Souza, I.R.P.¹, **Oliveira, A.C.¹**, Pinto, C.A.B.P.², Andrade, R.V.¹
¹Embrapa Milho e Sorgo, Rodovia MG 424 km 65, Caixa Postal 151, 35.701-970, Sete Lagoas, MG, Brasil. ²Departamento de Biologia, UFLA, Caixa Postal 37, 37.200-000, Lavras, MG, Brasil.

Coleção núcleo é uma amostra de acessos representativa da coleção ativa de germoplasma que deve manter mais de 70% da diversidade genética. A eficiência de utilização dos acessos de germoplasma de milho que compõem a coleção núcleo pode ser incrementada ao se agregar valores de caracterização molecular e morfo-agronômica, fornecendo informações mais detalhadas sobre esses acessos. Este trabalho objetivou validar e valorar a coleção núcleo de milho, subgrupo endosperma duro, da Embrapa Milho e Sorgo, através do emprego de descritores morfo-agronômicos e marcadores moleculares AFLP. Para 58 acessos da coleção núcleo e uma amostra de 21 acessos da coleção base foram avaliados 22 caracteres morfo-agronômicos e os perfis genéticos obtidos a partir de seis combinações de *primers* AFLP. Apesar dos dados morfológicos referentes à amostra da coleção base terem sido obtidos em diferentes anos e locais, através de consulta ao banco de dados, foram feitos testes comparativos entre as duas coleções. Houve diferenças significativas para médias, variâncias e distribuição de frequência de acessos das duas coleções em relação à maioria dos descritores. O estudo da validação da coleção núcleo utilizando dados morfo-agronômicos não pôde ser conclusivo, possivelmente, em razão da influência do efeito de ambiente. Os dendrogramas da coleção núcleo e da amostra da coleção base apresentaram estrutura geral semelhante e indicaram um bom ajuste entre as matrizes de distâncias genéticas e cofenéticas. A diversidade genética da amostra da coleção base e da coleção núcleo, baseada nos marcadores AFLP, foi atribuída em 95,96% à diversidade presente dentro de coleções, e apenas 4,04% devido à diferença entre coleções. As coleções apresentaram frequências alélicas semelhantes e a análise da distribuição de frequência demonstrou que não houve diferença significativa para 79% dos locos AFLP avaliados. A análise de variância molecular não mostrou diferença significativa entre a variabilidade genética da coleção núcleo e a amostra da coleção base. A caracterização molecular dos acessos permitiu concluir que a coleção núcleo de milho, tipo de endosperma duro, representa a variabilidade genética da coleção base.

Palavras-chave: *Zea mays* L., AFLP, diversidade genética, caracterização, germoplasma.