

3 Caracterização molecular do marcador SCAR SCC8 e avaliação de sua utilização como marcador para seleção assistida em cruzamentos entre cultivares apirênicas

Alessandra Russi¹; Vanessa Sawatsky Lampe²; Luis Fernando Revers³

O marcador PCR-específico SCC8 está ligado ao principal *locus* envolvido na expressão da apirenia e do peso de bagas em videiras, denominado *sdl*. A natureza codominante do marcador SCC8 possibilita uma melhor avaliação dos genótipos para o *locus* SCC8 e assim uma estimativa de sua contribuição para a variação fenotípica da apirenia em uma progênie. A fim de estabelecer ferramentas mais eficientes para seleção assistida do caráter apirenia, foi desenvolvido o presente trabalho, com objetivo de avaliar a utilização do marcador SCC8 na distinção entre plantas pirênicas e apirênicas em uma progênie segregante resultante de um cruzamento entre genitores apirênicos. De acordo com resultados obtidos, a distribuição de diferentes alelos no *locus* SCC8 em plantas apirênicas está associada com a presença de pelo menos um alelo SCC8⁺ ao passo que, em um subconjunto de plantas com sementes a distribuição de alelos está associada com a ausência do alelo SCC8⁺. Além disso, foi realizada a clonagem e determinação da seqüência nucleotídica completa dos dois alelos do *locus* SCC8 (*scc8* – alelo selvagem – e SCC8 – alelo associado com apirenia). Ambos alelos apresentaram 1011 pb de comprimento e a comparação de suas seqüências nucleotídicas revelou 31 polimorfismos de nucleotídeos simples, entre os quais uma única transição C→T sendo responsável pelo polimorfismo previamente descrito para os alelos do *locus* SCC8.

¹ Estagiária da Embrapa Uva e Vinho, Caixa Postal 130, 95700-000 Bento Gonçalves, RS. Bolsista PIBIC/CNPq. ale@cnpuv.embrapa.br

² Estagiária da Embrapa Uva e Vinho.

³ Pesquisador da Embrapa Uva e Vinho. luis@cnpuv.embrapa.br