

CONSTRUÇÃO DE UMA BIBLIOTECA REPRESENTANDO GENES INDUZIDOS DURANTE A INTERAÇÃO HOSPEDEIRO/PATÓGENO EM FOLHAS DA CULTIVAR SEYVE VILLARD 12375 INOCULADAS COM *Plasmopara viticola*

Sbeghen, Fernanda¹; Passaia, Gisele²; Serafim, Danielle³; Revers, Luís Fernando⁴

¹Laboratório de Biologia Molecular Vegetal - Embrapa Uva e Vinho – e-mail: fsbeghen@gmail.com

²Departamento de Genética Molecular Vegetal - UFRGS – e-mail: gisapassaia@gmail.com

³Laboratório de Biologia Molecular Vegetal – Departamento de Biotecnologia – UFRGS – e-mail: danicostenaro@gmail.com

⁴Laboratório de Biologia Molecular Vegetal - Embrapa Uva e Vinho – e-mail: luis@cnpuv.embrapa.br

Fungos patogênicos representam o maior problema econômico no cultivo de videiras em todo o mundo, reduzindo o rendimento e qualidade do fruto de diversas cultivares. Portanto, a identificação de genes que atuam nas respostas de defesas naturais da videira, podem contribuir para o entendimento dos mecanismos envolvidos no processo de defesa e para o desenvolvimento de ferramentas aplicadas ao melhoramento genético. O objetivo desse trabalho foi obter uma biblioteca enriquecida com genes induzidos durante a resposta natural de defesa da cultivar híbrida resistente Seyve Villard 12375, inoculada com *Plasmopara viticola* (míldio) utilizando-se a metodologia de representação diferencial de transcritos (RDA). Uma suspensão de esporos de míldio com 3×10^5 micrósporos por mililitro foi utilizada para pulverização da face abaxial de folhas de plantas da cultivar Seyve Villard 12375 mantidas em casa de vegetação. Amostras de folhas tratadas e não tratadas foram coletadas em intervalos regulares de zero (controle), 6, 24, 48 e 72 horas após a inoculação (hpi) para extração de RNA total e síntese de cDNA. Duas etapas de hibridização subtrativa (controle vs. mistura equimolar das amostras 6, 24, 48 e 72 hpi) foram realizadas. Uma parcela dos produtos obtidos na segunda subtração foi utilizada para a clonagem/construção da biblioteca, obtendo-se 2229 transformantes. Esta biblioteca será utilizada para identificação e montagem de uma coleção de genes cuja expressão é induzida em resposta à infecção por *P. viticola*. (Apoio financeiro: Embrapa Uva e Vinho, CNPq e FAPERGS).

Palavras-chave: Seyve Villard 12375, *Plasmopara viticola*, resistência à doenças