

0098

**Deteção e caracterização molecular do gene da proteína capsidial do *Rupestris stem pitting-associated virus*. Radaelli<sup>1</sup>, P.; Fajardo<sup>1</sup>, T.V.M.; Eiras<sup>2</sup>, M.; Kuhn<sup>1</sup>, G.B.; Pio-Ribeiro<sup>3</sup>, G.; Nickel<sup>1</sup>, O.** <sup>1</sup>Embrapa Uva e Vinho, C.P. 130, 95700-000, Bento Gonçalves, RS. <sup>2</sup>CPDSV, Instituto Biológico, São Paulo. <sup>3</sup>UFRPE, Recife, PE. E-mail: thor@cnpuv.embrapa.br. Detection and molecular characterization of RSPaV coat protein gene.

*Rupestris stem pitting-associated virus* (RSPaV) pertence ao gênero *Foveavirus* (*Flexiviridae*). O vírus afeta o desenvolvimento de videiras causando caneluras que são observadas na superfície do lenho, prejudicando a formação dos vasos condutores de seiva. Os objetivos deste trabalho foram detectar este vírus em videiras provenientes de termoterapia/cultura de tecidos, de quarentena e em 4 plantas com reação positiva em indexação biológica, bem como caracterizar molecularmente o gene da proteína capsidial (CP). O RNA total foi extraído dos ramos pelo método de adsorção em sílica. Na RT-PCR foram utilizados os oligonucleotídeos RSPaV-V1/C1, desenhados neste trabalho, com base no acesso NC\_001948, para permitir a amplificação de todo o gene da CP do RSPaV, com 780 pb (nt 7771 ao 8550). Os fragmentos de DNA amplificados de dois isolados do RSPaV foram clonados, seqüenciados e comparados com outras seqüências do banco de dados. As maiores identidades verificadas entre os isolados de RSPaV seqüenciados (EF636803, EF636804) e outros isolados deste vírus foram de 97-98%, para nucleotídeos, e de 98% para aminoácidos deduzidos (259 aa). Das 75 plantas avaliadas, somente 8 estavam infectadas: cv. 420A (termoterapia/cult tecido); cvs. Moscato de Hamburgo, Pinot Nero e Moscato Giallo (quarentena) e cv. Cabernet Franc (4 plantas).