

0098

Deteção e caracterização molecular do gene da proteína capsidial do *Rupestris stem pitting-associated virus*. Radaelli¹, P.; Fajardo¹, T.V.M.; Eiras², M.; Kuhn¹, G.B.; Pio-Ribeiro³, G.; Nickel¹, O. ¹Embrapa Uva e Vinho, C.P. 130, 95700-000, Bento Gonçalves, RS. ²CPDSV, Instituto Biológico, São Paulo. ³UFRPE, Recife, PE. E-mail: thor@cnpuv.embrapa.br. Detection and molecular characterization of RSPaV coat protein gene.

Rupestris stem pitting-associated virus (RSPaV) pertence ao gênero *Foveavirus* (*Flexiviridae*). O vírus afeta o desenvolvimento de videiras causando caneluras que são observadas na superfície do lenho, prejudicando a formação dos vasos condutores de seiva. Os objetivos deste trabalho foram detectar este vírus em videiras provenientes de termoterapia/cultura de tecidos, de quarentena e em 4 plantas com reação positiva em indexação biológica, bem como caracterizar molecularmente o gene da proteína capsidial (CP). O RNA total foi extraído dos ramos pelo método de adsorção em sílica. Na RT-PCR foram utilizados os oligonucleotídeos RSPaV-V1/C1, desenhados neste trabalho, com base no acesso NC_001948, para permitir a amplificação de todo o gene da CP do RSPaV, com 780 pb (nt 7771 ao 8550). Os fragmentos de DNA amplificados de dois isolados do RSPaV foram clonados, seqüenciados e comparados com outras seqüências do banco de dados. As maiores identidades verificadas entre os isolados de RSPaV sequenciados (EF636803, EF636804) e outros isolados deste vírus foram de 97-98%, para nucleotídeos, e de 98% para aminoácidos deduzidos (259 aa). Das 75 plantas avaliadas, somente 8 estavam infectadas: cv. 420A (termoterapia/cult tecido); cvs. Moscato de Hamburgo, Pinot Nero e Moscato Giallo (quarentena) e cv. Cabernet Franc (4 plantas).