

0097

Caracterização molecular parcial do gene da proteína capsidial do *Grapevine fanleaf virus*. Radaelli¹, P.; Fajardo¹, T.V.M.; Eiras², M.; Kuhn¹, G.B.; Pio-Ribeiro³, G.; Nickel¹, O. ¹Embrapa Uva e Vinho, C.P. 130, 95700-000, Bento Gonçalves, RS. ²CPDSV, Instituto Biológico, São Paulo. ³UFRPE, Recife, PE. E-mail:thor@cnpuv.embrapa.br. Partial molecular characterization of the GFLV coat protein gene.

A degenerescência da videira é causada pelo *Grapevine fanleaf virus* (GFLV), pertencente ao gênero *Nepovirus* (*Comoviridae*), e constitui-se em importante virose da viticultura mundial. O objetivo deste trabalho foi avançar na caracterização molecular de um isolado de GFLV do Rio Grande do Sul. Primeiramente, o isolado viral foi transmitido mecanicamente da cv. Prosecco para *Chenopodium quinoa*. O RNA total foi extraído de folhas utilizando-se um kit comercial. Para a síntese do cDNA foi utilizado

o oligonucleotídeo C1 (Rowhani et al. *Phytopathol.* 83:749. 1993) e, na PCR, foram empregados os oligonucleotídeos virais 5'-CP (Brandt et al. *Arch. Virol.* 140:157. 1995) e EV00N3 (Vigne et al. *Transg. Res.* 13:165. 2004), resultando na amplificação de fragmentos de DNA com 549 e 504 pb, respectivamente. Os dois fragmentos amplificados foram clonados, seqüenciados e comparados com outras seqüências do banco de dados. O alinhamento dos dois fragmentos resultou em uma seqüência de 505 pb (168 aa) correspondente ao terminal 5' do gene da proteína capsidial do GFLV (nt 2048-2552, no acesso X16907, CP completa = 1515 bp). As identidades verificadas entre o isolado local de GFLV e outros isolados deste vírus variaram de 88-91%, para nucleotídeos, e de 94-97% para aminoácidos deduzidos. Estão em andamento atividades para a obtenção da seqüência completa deste gene.