

(TG), lipoproteínas de alta densidade (LAD), lipoproteínas de baixa densidade (LBD) e de progesterona (P4), durante o parto precoce de vacas Indobrasil em el trópico seco de Michoacán. Se utilizaron 35 vacas anéstricas de 62.9 ± 20.9 días posparto, 3.24 ± 0.4 de condición corporal, 486.2 ± 72.5 kg de PV y 4.4 ± 2.19 partos. Se dividieron en un grupo control (GC; n=17), sin suplementación grasa y un grupo suplementado con 4% del total de la MS de la dieta de grasa de bypass (BYPASS; n=18). Las concentraciones de COL, TG, LAD y LBD se determinaron por métodos enzimáticos-colorimétricos y las concentraciones de P4 por radioinmunoanálisis en fase sólida, en muestras sanguíneas colectadas dos veces por semana durante los 35 días de suplementación. Las vacas del grupo BYPASS incrementaron (P<0.0001) la concentración plasmática de COL, LAD y LBD, respecto al grupo control (216.8 ± 6.4 vs 168.3 ± 7.5; 104.9 ± 2.1 vs 88.1 ± 2.4 y 48.0 ± 2.7 vs 38.9 ± 3.1 mg/dL, respectivamente), mientras que la concentración de TG no fue afectada por el tratamiento (12.3 ± 0.7 vs 13.2 ± 0.8). La concentración plasmática (ng/ml) de P4 fue superior (P<0.001) en las vacas del grupo BYPASS (3.02 ± 0.18) respecto al grupo control (0.49 ± 0.22). La suplementación con grasa de BYPASS afecta positivamente las concentraciones plasmáticas de COL, LAD, LBD y P4 durante el parto temprano, sin afectar las concentraciones de TG en vacas Indobrasil mantenidas en pastoreo.

Palabras clave: colesterol, triglicéridos, LAD, LBD, progesterona

FR-021

ESTUDO DA VARIABILIDADE GENÉTICA DA PRODUÇÃO DE LEITE EM DIFERENTES IDADES APLICANDO MODELOS DE REGRESSÃO ALEATÓRIA

El Faro, L^{1*}; Albuquerque, L.G.^{2,4}; Machado, C.H.C.³

¹ Pesquisador Científico, Melhoramento Genético, APTA/SAA - SP. Av. Bandeirantes, 2419, CEP14.030-670 Ribeirão Preto - SP - Brasil. lenira@apta regional.sp.gov.br.

² Professor Adjunto, Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias - UNESP, Jaboticabal - SP - Brasil.

³ Superintendente técnico do Melhoramento de Bovinos Leiteiros, ABCZ, Uberaba, MG, Brasil

⁴ Bolsista do CNPq.

As produções de leite acumuladas até os 305 dias de lactação de 5449 vacas da raça Gir leiteiro, em diferentes idades ao parto foram analisadas por meio de um modelo animal de repetibilidade e de modelos de regressão aleatória (MRA) com diferentes ordens para as funções de covariância genética aditiva e de ambiente permanente. As variâncias residuais foram consideradas homogêneas ou heterogêneas. Os modelos consideraram o grupo de contemporâneos como efeito fixo, composto pelas variáveis, rebanho, ano e estação do parto, sendo mantidos os grupos com cinco observações, no mínimo. A idade da vaca ao parto foi considerada como covariável e para o MRA a idade descreve

a trajetória fixa de ordem cúbica. Foram modelados MRA de ordens linear até cúbica, para os efeitos aditivos e de ambiente permanente. Dentre os modelos testados, o critério de informação de Akaike (AIC) elegeu o modelo quadrático, com quatro variâncias residuais heterogêneas (3.3.4) como aquele que proporcionou o melhor ajuste, enquanto o critério de informação bayesiano de Schwarz (BIC) elegeu o modelo de repetibilidade. Para o modelo de repetibilidade, a estimativa de herdabilidade foi de 0,26. Para o MRA 3.3.4, as herdabilidades variaram de 0,19 (14 anos) e 0,31, aos três e aos quatro anos de idade ao parto. As correlações genéticas, apesar de positivas, variaram de 0,29 a 0,99, sendo menores entre as produções aos 3 e 4 anos, com as produções de idades superiores.

Palavras-chave: bovinos leiteiros, característica produtiva, correlações genéticas, genéticos herdabilidade, raça zebuína

FR-022

AVALIAÇÃO DE METODOLOGIAS PARA VALIDAÇÃO DE QTL UTILIZANDO A ESTRUTURA DE FAMÍLIA DE UM NÚCLEO MOET

Peixoto, MGCD^{1*}; Martinez, ML¹; Teodoro, RL¹; Carvalho, MRS²; Machado, MA¹; Euclides, RF³; Gomes, FC; Verneque, RS¹

¹ Embrapa Gado de Leite, Brasil. *gaby@cnpqgl.embrapa.br

² Instituto de Ciências Biológicas, Universidade Federal de Minas Gerais, Brasil.

³ Departamento de Zootecnia, Universidade Federal de Viçosa, Brasil. Suporte financeiro da Fapemig

A detecção de marcadores associados a QTL pode auxiliar os programas de melhoramento. O poder de detecção depende de vários aspectos, tais como o desequilíbrio de ligação. Vários métodos já foram desenvolvidos para detecção de QTL. Nosso objetivo foi avaliar a utilização de dados da estrutura de família do núcleo MOET (irmãos completos e meio-irmãos) na validação de QTL mediante regressão. Verificou-se que estas análises foram capazes de detectar associações marcador-QTL em níveis expressivos de significância (p<0,0001). Os resultados indicam a possibilidade de utilização destes dados para validação de QTL.

Palavras-chave: QTL, Poder de detecção, Marcadores moleculares, Estrutura de família.

ALPA 2007 APPA 2007



XXX REUNION ASOCIACION LATINOAMERICANA DE PRODUCCION ANIMAL
XXX REUNION ASOCIACION PERUANA DE PRODUCCION ANIMAL
V CONGRESO INTERNACIONAL DE GANADERIA DOBLE PROPOSITO



[PRESENTACION](#)

[COMITE ORGANIZADOR](#)

[WEB](#)

[PLENARIAS](#)

[SIMPOSIOS](#)

[TRABAJOS LIBRES](#)

[EMPRESAS AUSPICIADORAS](#)

[CUSCO TURISTICO](#)

[PERU TURISTICO](#)

[GALERIA DE FOTOS](#)

Logo:
Apna, Inc.
Asociación de Productores de Animales
Buenos Aires, Argentina
www.apna.org.ar