

Estudo da associação entre um SNP do gene PPARGC1A com espessura de gordura subcutânea, área de olho de lombo e peso aos 18 meses em uma população de bovinos da raça Canchim.

1Tizioto, PC; 1Veneroni, GB; 2Meirelles, SL; 1Ibelli, AMG; 2Oliveira, HN; 3Alencar, MM; 3Regitano, LCA 1Programa de pós graduação em Genética e Evolução- UFSCar 2Departamento de Genética e Melhoramento Animal – UNESP Jaboticabal/SP 3Embrapa Pecuária Sudeste

O Canchim é uma raça composta (5/8 Charolês 3/8 Zebu), que vem sendo cada vez mais incorporada como opção para produção de carne no Brasil, entretanto esta possui pouca gordura de cobertura. A quantidade e distribuição de gordura têm um importante impacto na qualidade da carcaça e carne de bovinos de corte. O gene PPARGC1A (peroxisome proliferative active receptor gamma coactivator 1A) tem sido elencado como candidato para características de gordura. Este é um coativador do subconjunto de genes de fosforilação oxidativa que controla o transporte e oxidação de glicose e lipídeos. Estudos têm identificado SNPs neste gene e relacionado com deposição de gordura no leite e características de gordura em suínos. O objetivo deste trabalho foi testar a associação de um polimorfismo do gene PPARGC1A com espessura de gordura, área de olho de lombo e peso aos 18 meses em bovinos da raça Canchim. Foram utilizados 610 animais, incluindo machos e fêmeas, nascidos entre os anos de 2003 a 2006, criados em regime de pastagem em oito fazendas situadas nos estados de SP e GO. Estes animais foram avaliados para espessura de gordura subcutânea e área de olho de lombo através de medidas ultrassonográficas e pesados aos 18 meses de idade. As extrações de DNA foram realizadas a partir de leucócitos. O SNP localizado no intron 9 do gene PPARGC1A foi genotipado pela técnica PCR-RFLP. Como um dos primers utilizado na PCR foi marcado com fluorescência, a análise dos produtos da PCR e da digestão foi feita através do seqüenciador ABI Prism 3100 Avant (Applied Biosystems). Os genótipos foram determinados com a utilização do programa GeneScan (versão 3.7.1). O estudo de associação entre o genótipo do marcador e as medidas fenotípicas foi feito através do método de máxima verossimilhança restrita sob um modelo animal. Não foi observada associação significativa entre o SNP estudado com as medidas de espessura de gordura subcutânea, área de olho de lombo e peso aos 18 meses nesta população da raça canchim.

PROCI-2009.00367
TIZ
2009
SP-PP-2009.00367

Estudo da associação entre ...
2009 SP-PP-2009.00367



CPPSE-19089-1