

# Caracterização do haplótipo mitocondrial de uma amostra de touros da raça Nelore, representativa das principais linhagens comercializadas no Brasil.

**1Méo, SC; 2Tizioto, PC; 3Siqueira, F; 3Rosa, AN; 3Silva, LOC; 3Torres Júnior, RAA; 2Veneroni, GB; 2Ibelli, AMG; 1Alencar, MM; 1Regitano, LCA 1Embrapa Pecuária Sudeste - São Carlos/SP. 2Programa de pós-graduação em Genética e Evolução - UFSCAR. 3Embrapa Gado de Corte - Campo Grande/MS.**

Os bovinos podem ser classificados em dois grandes grupos de acordo com sua origem e distribuição geográfica: o tipo taurino, representado pelos bovinos europeus, e o zebuíno, que vive nas regiões tropicais. O rebanho brasileiro é constituído principalmente por raças zebuínas, sendo a raça que apresenta maior expressão a Nelore. Os mamíferos possuem, além do genoma nuclear, um genoma citoplasmático encontrado nas mitocôndrias, o DNA mitocondrial (mtDNA), que apresenta herança exclusivamente materna. Há relatos que os polimorfismos no mtDNA podem afetar a adaptação das raças bovinas a condições ambientais distintas bem como a produção animal. Provavelmente a maioria da população da raça Nelore foi obtida por retrocruzamentos de vacas nativas com touros zebuínos e, portanto, abrigam mtDNA de origem *Bos taurus*. O objetivo deste estudo foi caracterizar o haplótipo do mtDNA de uma amostra de touros de diferentes linhagens da raça Nelore. A seleção dos animais que compõem esta amostra foi feita a partir de consultas ao Sumário Nacional de Touros da Raça Nelore. Foram eleitos 30 touros ativos na população, ou seja, que têm sêmen disponível no mercado, cujas genealogias sejam representativas das principais linhagens da raça Nelore e de maneira a minimizar a existência de parentesco entre eles. A investigação do haplótipo mtDNA (*Bos taurus* ou *Bos indicus*) foi realizada através da PCR alelo-específica para amplificação de uma região 366 pb do gene rRNA 16S de mtDNA, no qual um polimorfismo diferencia mtDNA *Bos taurus* e *Bos indicus*. Observou-se nesta amostragem, prevalência de mtDNA de origem *Bos taurus*, representando cerca de 69% do total de animais avaliados. Estes resultados reforçam a hipótese que a formação da raça Nelore no Brasil, provavelmente resultou do cruzamento absorvente de touros *Bos indicus* com matrizes *Bos taurus*.

PROCI-2009.00366  
MEO  
2009  
SP-PP-2009.00366

Caracterização do ...  
2009 SP-PP-2009.00366



CPPSE-19090-1