

**CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DE POPULAÇÕES DE *Pratylenchus* spp. ATRAVÉS DE PCR-RFLP.** (Molecular characterization of population of *Pratylenchus* spp. through PCR-RFLP). <sup>1</sup>Andrade, E.P. de; <sup>2</sup>Cordeiro, M.C.; <sup>3</sup>Gonzaga, V.; <sup>1</sup>Cares, J.E. <sup>1</sup>Departamento de Fitopatologia-Universidade de Brasília CEP 70900-900. <sup>2</sup>Embrapa Cerrados. <sup>3</sup>Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia. Brasília, DF, Brasil. E-mail: eandrade@unb.br.

As espécies de *Pratylenchus* são em geral referidas como os nematóides das lesões radiculares devido aos sintomas na forma de lesões necróticas que causam nas raízes de seus hospedeiros, esses fitonematóides ocupam o segundo lugar em importância econômica, sendo superados, apenas, pelos nematóides de galha (*Meloidogyne* spp.). A região ITS do rDNA tem sido muito usada para caracterização molecular de nematóides, uma vez que exibe considerável variação entre espécies e dentro de populações de mesma espécie. Com o objetivo de caracterizar molecularmente populações de *P. zae*, *P. coffeae* e *P. jaehni*, proveniente de diferentes regiões geográficas do Brasil, foram realizadas análises de PCR-RFLP, usando enzimas *Pst*I, *Hpa*II e *Hind*III. A reação em cadeia da polimerase (PCR) amplificou a região ITS das populações estudadas, e revelou diferença de tamanho variando de aproximadamente 800 a 1200 pb. Através da digestão do fragmento gerado pela amplificação por PCR com enzimas de restrição utilizadas foi possível observar que apenas o fragmento de *P. coffeae* foi digerido.