

1022; Cpafr 1061, TPC 00248; TPC 00779, e 'Eureka'].

488
Desempenho agrônomico e divergência genética de genótipos de melancia.

Flávio de França Souza¹; Elizângela Ferreira de Melo Costa²; Rita de Cássia de Souza Dias³; Manoel Abílio de Queiróz⁴.

¹Embrapa Rondônia, C.P. 406, 78900-970, Porto Velho-RO. E-mail: flaviofs@cpafro.embrapa.br; ²Faculdade São Lucas, Rua Alexandre Guimarães 1927, Areal, CEP. 78916-450, Porto Velho - RO
³Embrapa SemiÁrido, C.P. 23, CEP 56302-970, Petrolina-PE; 4DTCS-UNEB, C. Postal 171, 48900-000, Juazeiro-BA.

O presente trabalho objetivou avaliar o desempenho agrônomico e estimar a divergência genética entre genótipos de melancia, avaliados. O ensaio foi conduzido na Estação Experimental da Embrapa Rondônia, em Presidente Médici-RO. Utilizou-se o delineamento de blocos casualizados, com 15 tratamentos, quatro repetições e parcelas de 10 plantas. Os tratamentos constituíram-se de híbridos comerciais e linhagens F6 e F8 da Embrapa Rondônia. Avaliaram-se: peso de fruto (PMF), teor de sólidos solúveis (TSS); Diâmetro longitudinal (DLF) e transversal (DTF) de fruto; relação DLF/DTF; espessura de casca no pedúnculo (ECP) e na cicatriz floral (ECF), número de sementes por fruto (NSF), comprimento (CDS) e largura de sementes (LDS); e produtividade (PRD). Estimou-se a importância relativa dos caracteres usando método de Singh. Agruparam-se os genótipos utilizando-se o método hierárquico de Ward, baseado na distância de Mahalanobis. Verificou-se grande variabilidade no germoplasma avaliado e o híbrido 'Starbrite' apresentou melhor desempenho agrônomico. As linhagens Cpafr 1061 e Cpafr 2085 foram os genótipos mais similares e os híbridos TPC00250 e 'Mirage' foram os mais divergentes. O DLF foi a variável com maior participação na divergência genética entre os genótipos. Houve a formação de dois grupos de divergência, sendo o primeiro composto pelos híbridos 'Mirage' e 'Starbrite' e o segundo pelos demais genótipos ['Top Gun'; 'Jetstream'; TPC00250; TPC 00398, 'Eureka', TPC00248, TPC00779 e linhagens da Embrapa Rondônia].

489
Avaliação de genótipos de morangueiro para cultivo na Depressão Central do Rio Grande do Sul.

Francieli Lima Cardoso¹; Gustavo Gimenez¹; Rodrigo dos Santos Godói¹; Jerônimo Andriolo¹; Djeimi Isabel Jänisch¹, Carine Cocco¹.

¹UFSM-CCR-Dpto de Fitotecnia, 97.105-900, Santa Maria-RS. E-mail: andriolo@smail.ufsm.br

O objetivo deste trabalho foi avaliar a produtividade e qualidade de frutos de seis genótipos de morangueiro provenientes do Programa de Melhoramento Genético dessa cultura, nas condições ambientais da Depressão Central do Rio Grande do Sul. As testemunhas foram as cultivares Oso Grande e Camarosa. O experimento foi conduzido na UFMS, entre 13 de abril e 19 de dezembro de 2006. O delineamento experimental foi de blocos ao acaso com 4 repetições. Foram determinados a precocidade, produtividade precoce e total, teor de sólidos solúveis (TSS), acidez e firmeza da polpa. Os clones LBD 15.1 e LBH 27.2 destacaram-se pela alta produtividade precoce e total. Todos os genótipos apresentaram características aceitáveis de qualidade da fruta. Os clones LBD 15.1 e LBH 27.2 possuem uma grande potencialidade para serem utilizados como cultivares adaptados à região da Depressão Central do Rio Grande do Sul.

490
Caracterização de acessos de *C. chinense* por meio de descritores morfológicos.

Francisco Joaci de Freitas Luz¹; Leila Trevizan Braz²; Eliana Gertrudes de Macedo Lemos².

¹ Pesquisador da Embrapa Roraima; ² Professoras da Unesp/FCAV Jaboticabal.

A Amazônia é reconhecida como provável centro de diversidade de pimentas da espécie *Capsicum chinense*. A caracterização morfológica de populações cultivadas e silvestres da espécie, fornecerão informações valiosas para uso em programas de melhoramento genético. Foram caracterizados 58 acessos de pimentas provenientes de uma coleção de trabalho mantida pela Embrapa Roraima, a partir da aplicação de 61 descritores morfológicos para *Capsicum*, estabelecidos

pelo IPGRI, com algumas alterações. A análise dos dados foi feita pelo Programa Genes, seguido pelo agrupamento e a comparação dos valores obtidos a partir do complemento aritmético do índice de dissimilaridade de COLE-RODGER, gerando uma matriz de dissimilaridade. Observou-se uma dissimilaridade média de 50% com valores acima de 70% para alguns morfotipos, demonstrando haver uma alta variabilidade entre os mesmos, considerando os descritores morfológicos analisados.

491
Diversidade genética entre e dentro de linhagens de abóbora com base em marcadores moleculares.

Francisco Valdevino Bezerra Neto¹; Nilton Rocha Leal¹; Gustavo Menezes Gonçalves¹; Messias Gonzaga Pereira¹.

¹ UENF, CCTA, LMGV, Av. Alberto Lamego 2000, Parque Califórnia, 28013-602, Campos dos Goytacazes, RJ. fvbn@uenf.br

Os marcadores RAPD tem auxiliado a identificação de variabilidade genética em diferentes populações de plantas e coleções de germoplasma. O objetivo deste trabalho foi estudar a diversidade genética entre e dentro de linhagens avançadas de autofecundação, através da técnica RAPD. Foram utilizados neste estudo sete linhagens na 15ª geração de autofecundação, e três cultivares. Os marcadores RAPD foram eficazes em revelar diversidade genética entre as linhagens, evidenciando um aumento da variância entre as mesmas no avanço das gerações. Dentro das linhagens não foi encontrado nenhuma diversidade, evidenciando um elevado grau de fixação das linhagens.

492
Estimativa do coeficiente de repetibilidade para caracteres do fruto de abóbora.

Francisco Valdevino Bezerra Neto¹; Nilton Rocha Leal¹; Gustavo Menezes Gonçalves¹; Antônio T. do Amaral Júnior¹.

¹ UENF, CCTA, LMGV, Av. Alberto Lamego 2000, Parque Califórnia, 28013-602, Campos dos Goytacazes, RJ. fvbn@uenf.br

O presente trabalho objetivou estimar o coeficiente de repetibilidade para oito caracteres de frutos de abóbora, e determinar o número mínimo de avaliações que devem ser feitas para uma predição acurada do valor real dos genótipos. As estimativas de repetibilidade foram realizadas pelo método dos componentes principais a partir da matriz de correlação. As estimativas dos coeficientes de repetibilidade para a maioria das características demonstraram regularidades nos genótipos, e uma medição para espessura de polpa no polar inferior a 14 medições para peso de fruto e diâmetro do fruto são necessárias para obter confiabilidade em torno de 95%. O aumento na precisão em termos de predição do valor real dos indivíduos além de 95% implicará aumentar, sobremaneira, o número de medições, que por sua vez, pouco acrescentará em termos de precisão, sendo, muitas vezes, injustificado seu uso.

493
Estimativa de parâmetros genéticos para resistência a "queima-das-folhas" em genótipos de cenoura do grupo 'Brasília' cultivados em sistema orgânico.

Michelle Souza Vilela^{1,2}; Jairo Vidal Vieira¹; José Ricardo Peixoto²; Giovani Olegário da Silva¹; Leonardo Silva Boiteux¹; Francisco Vilela Resende¹

¹EMBRAPA Hortaliças, CP 0218, CEP 70359-970, Brasília, DF, Brasil; ² FAV _ UnB, Caixa Postal 04508, 70910-900, Brasília, DF. E-mail: michelle@cnpq.embrapa.br

A "queima-das-folhas" é a principal doença que afeta o cultivo de cenoura, especialmente durante o período de verão nas condições edafoclimáticas brasileiras. Como em sistemas orgânicos o uso de agrotóxicos não é permitido, o aumento dos níveis de resistência a esta enfermidade é essencial. O objetivo desse trabalho foi estimar parâmetros genéticos associados à resistência a "queima-das-folhas" em cenoura, utilizando-se de famílias de meio-irmãos derivadas da cultivar 'Alvorada' avaliadas em área de produção orgânica. Este conjunto de informações é crucial para subsidiar o estabelecimento de estratégias eficientes de seleção visando o desenvolvimento de cultivares de cenoura adaptadas especificamente para sistemas orgânicos. Foram estimados os valores de herdabilidade (39,5%), ganho esperado por ciclo utilizando-se diferentes intensidades de seleção (ganhos de 3,45%; 2,76% e 2,28% para intensidades de