

IP 26732 ✓  
SP 12789 ✓

Área: Virologia ( Divisão P )

**ESTUDO DA VARIABILIDADE GENÉTICA DO VÍRUS DA PINTA VERDI MARACUJAZEIRO ATRAVÉS DE SSCP (SINGLE STRAND CONFORMATI POLYMORPHISM).****Renata Antonioli Luizon (ESALQ/USP); Eliane Cristina Locali Fabris (CCSM/IAC); Juliana Astúa (EMBRAPA); Marcos Antonio Machado (CCSM/IAC); Elliot Watanabe Kitajima (NAPE/ESALQ/USP)****Resumo**

O Brasil é o maior produtor mundial de maracujá e essa produção destina-se tanto ao mercado de consumo <i>in natura</i> como ao processamento para a produção de suco concentrado, tendo a região Nordeste 44% da produção. A cultura do maracujá é afetada por um grande número de pragas e doenças, como o vírus da pinta verde do maracujazeiro (Passion fruit green virus-PFGSV). Esse vírus, transmitido pelo ácaro <i>Brevipalpus</i> sp., caracteriza-se por induzir a formação de pequenas manchas verde em frutos e folhas senescentes, além de lesões necróticas em ramos. Quando a infecção é precoce, as lesões coalescem, produzindo anelamento e morte da planta. Exames ao microscópio eletrônico de transmissão, revelam presença de partículas baciliformes em cisternas do retículo endoplasmático e viroplasma denso no citoplasma. Seu controle é essencialmente preventivo através do manejo químico do ácaro, e quando a infestação se dá precocemente e não é adequadamente controlada, ocorre sua rápida proliferação e toda a cultura pode ser destruída. Apesar de seu relato iniciada em Vera Cruz-SP há 11 anos, não há estudos sobre a variabilidade do patógeno. Sendo assim, o objetivo deste trabalho foi analisar a variabilidade do PFGSV para parte dos genes putativos das proteínas de movimento e replicase, através de SSCP. Partindo de RNA total, RT-PCR e SSCP, foram analisados isolados de três estados, SP, BA e DF e nove cidades brasileiras num total de 27 amostras, resultando em uma diferença de variabilidade somente entre os estados. Entre as amostras do mesmo estado a variabilidade foi extremamente baixa, para ambos os <i>primers</i>. Porém, será necessária a análise de maior quantidade de amostras para se obter informações mais conclusivas sobre a variabilidade do PFGSV, sendo que a doença já se encontra disseminada em outros estados brasileiros como MG, RJ, SE, RO e MA.

Apoio financeiro: FAPESP, CNPq e EMBRAPA.

Palavras-chave: PFGSV, diversidade genética.

Palavras-chave: PFGSV, diversidade genética, Brevipalpus sp.

p/ Flavio  
todas as análises - ver  
nome, como a praga