836

Seleção de potenciais fontes de resistência à pinta bacteriana do tomateiro em acessos do Banco de Germoplasma de Hortaliças da UFV. Silva, IT¹; Sousa, JB²; Alves, DP²; Cavalcante, GP¹; Silva, DJH²; Oliveira, JR¹. ¹Laboratório de Bacteriologia II, ²Departamento de Fitotecnia / UFV, CEP 36571000, Viçosa, MG, Brasil. E-mail: itonole@yahoo.com.br. Selection of potential sources of resistance to bacterial speck of tomato accessions in the vegetable germplasm bank of the UFV.

A pinta bacteriana do tomateiro, causada por *Pseudomonas syringae* pv. *tomato*, encontra-se amplamente disseminada nas principais regiões produtoras de tomate no Brasil. Devido a alta suscetibilidade dos genótipos cultivados, perdas significativas (30%) já foram registradas. Assim, o objetivo deste trabalho foi avaliar a reação de 50 acessos de tomateiro do Banco de Germoplasma de Hortaliças da UFV (BGH-UFV) a esta fitobacteriose. Os ensaios foram conduzidos em casa-de-vegetação a 25°C. O delineamento utilizado foi o DIC com cinco repetições. Como padrão de suscetibilidade foi utilizada a cultivar Santa Clara. A suspensão bacteriana (OD₅₄₀ = 0,1), preparada em salina 0,85%, foi atomizada sobre as folhas das plantas de tomate quando estas apresentavam 6 ou 7 folhas definitivas, permanecendo em câmara úmida por 24 horas. Aos quinze dias após a inoculação contou-se o número total de pintas por planta. Os dados obtidos foram submetidos à análise de variância e teste de Scott-Knott a 5% de significância. Os acessos 2124 e 4350 foram os mais resistentes e, os acessos 2128 e 2055 os mais suscetíveis. Apoio Financeiro: FAPEMIG.

838

Caracterização genética de *Fusarium oxysporum* f. sp. *cubense* por RAPD no Estado de Santa Catarina. Silva, CM¹; Hinz, RH²; Stadnik, MJ¹; Pereira, A²; Tcacenco, FA². ¹Programa de Recursos Genéticos Vegetais (UFSC, 88040-900 Florianópolis-SC); ²Pesquisadores EPAGRI/EEI, Rodovia Antônio Heil, km 06, CEP 88301-970 Itajaí, SC. E-mail: crisfito@hotmail.com. RAPD characterization of *Fusarium oxysporum* f.sp. *cubense* in Santa Catarina state.

O Mal-doPanamá causado pelo fungo *Fusarium oxysporum* f. sp. *cubense* (FOC) é um dos principais problemas fitossanitários da bananicultura. Para esta doença, o uso da resistência genética é o método de controle recomendável. Porém, sua eficiência depende de genes de resistência disponíveis e/ou presença de patótipos do patógeno. Assim, este trabalho teve como objetivo caracterizar a diversidade genética de isolados de FOC por RAPD. Foram utilizados 29 isolados patogênicos de FOC coletados em regiões produtoras de Santa Catarina. Para tanto, extraiu-se o DNA genômico do fungo, que submetidos a 3 iniciadores RAPDs geraram 28 bandas, das quais 21 foram polimórficas. As estimativas das similaridades genéticas pelo coeficiente de Jaccard resultaram em dois grupos distintos que apresentaram similaridade superior a 80%. O primeiro grupo foi constituído por 12 indivíduos originários da região sul do estado, enquanto um segundo grupo de 17 indivíduos da região norte do Estado. Os dois grupos foram unidos entre si a um nível de similaridade de 70%. Uma amostra coletada no município de Corupá, no norte do estado, posicionou-se no dendograma isoladamente a uma dessimilaridade superior a 50%. A análise por RAPDs permitiu demonstrar grupos distintos de indivíduos provenientes das regiões norte e sul do estado.

837

Resistência de acessos e cultivares de alface à murcha de fusário. Cabral, CS¹; Santos Junior, WN¹; Carvalho, MRM¹; Boiteux, LS²; Reis, A². ¹Faculdades da Terra de Brasília; ²Embrapa Hortaliças. E-mail: clea.86@gmail.com. Resistance of lettuce accessions and cultivars to fusarium wilt.

A murcha de fusário, causada por *Fusarium oxysporum* f. sp. *lactucae*, é uma doença que tem provocado grandes prejuízos ao cultivo da alface em vários países. A mesma foi observada, recentemente, em cultivos comerciais de alface no Brasil. O presente trabalho teve como objetivo determinar a reação de cultivares e acessos de alface quanto à resistência a quatro isolados de *F. oxysporum* f. sp. *lactucae*. As plantas foram semeadas em bandejas de isopor e, 21 dias após o semeio, as mesmas tiveram suas raízes cortadas e mergulhadas em uma suspensão de 3x10⁶ microconídios/ml por um minuto. Após a inoculação, as plantas foram transplantadas para vasos com solo esterilizado. A avaliação foi realizada 21 dias após a inoculação usando uma escala de notas, variando de 1 (ausência de sintomas) a 5 (plantas mortas). Foram consideradas resistentes as cultivares/acessos com notas variando de 1 a 2. A cultivar Banchu Red Fire e os acessos 34, 35, 36 foram suscetíveis a todos os isolados enquanto os acessos 001 e 003 (Red Salad Bowl e Mimosa Red Salad Bowl, respectivamente) foram resistentes aos mesmos. O acesso 038 foi resistente apenas ao isolado Fus.172 e a cultivar Grandes Lagos (tipo Americana) foi resistente aos isolados Fus.171 e 172 e a Cubana resistente ao isolado Fus.171. As cultivares Red Salad Bowl e Mimosa Red Salad Bowl, devem ser plantadas, preferencialmente, em regiões onde a doença ocorre e também podem servir como fontes de resistência à doença.

839

Evaluation of resistance inducers to control black-spot (*Asperisporium caricae*) disease in papaw (*Carica papaya*) genotypes. Terra, CEPS¹; Vivas, M¹; Silveira, SF¹; Tatagiba, J²; Pereira, MG³. ¹LEF/CCTA/UENF, Campos dos Goytacazes, RJ; ²Fitoclin/Linhares-ES; ³LMGV/CCTA/UENF. E-mail: prof.duduvan@gmail.com. Avaliação de indutores de resistência no controle da pinta-preta (*Asperisporium caricae*) em genótipos de mamoeiro (*Carica papaya*)

With the aim to evaluate the effect of resistance inducers to control black-spot disease in different papaw genotypes, a greenhouse experiment was performed (RBD – factorial 6x4, with 6 genotypes, three inducers and control without inducer), in three evaluation periods. The selected papaya genotypes were three from the 'Solo' group (SS 783, SS 72/12 and Golden), and three from 'Formosa' group (JS 12, Maradol, Calimosa), chosen from the UENF/CALIMAN germplasm bank. Inducers were applied with intervals of 15 days, the inducers were: acibenzolar-S-methyl (Bion®), organic-mineral foliage fertilizer (Agro-Moss®), phosphite (Hortifos PK®) and control. The Area Under the Disease Progress Curve (AACPD), maximum disease severity (SEV) and leaf age (days) until first symptoms emergence (T0), were evaluated. Statistical significant difference was observed among: genotypes, inducers and interaction genotype x inducer. Mean values were compared by the Least Significant Difference – DMS. The use of Bion® (ASM) resulted in the lowest mean values for AACPD and SEV and highest mean value for T0 in all three evaluation periods; it was also the only treatment resulting in efficient control of the disease, once leaves remained practically without symptoms on treated plants.