



## MICROORGANISMOS

### **AValiação DO SISTEMA COMERCIAL CandiFast PARA IDENTIFICAÇÃO DE LEVEDURAS ISOLADAS DO MOSTO DE UVAS BRANCAS E TINTAS.**

GILDO ALMEIDA DA SILVA , Patrícia Dayane Carvalho Schaker , Morgana Menegotto , Taís Letícia Bernardi

**Palavras-chave:** identificação, *Saccharomyces cerevisiae*, CandiFast.

A região do Vale dos Vinhedos, localizada em Bento Gonçalves - RS, possui indicação geográfica para elaboração de vinhos no Sul do Brasil, o que torna de extrema importância a seleção e a identificação de linhagens autóctones para elaboração de vinhos de qualidade. As linhagens de leveduras das séries “vvt”, pertencentes à coleção de micro-organismos do Laboratório de Microbiologia da Embrapa Uva e Vinho, foram isoladas do mosto de uvas tintas da região do Vale dos Vinhedos nos anos de 1996 (vvt/96), 1997 (vvt/97) e 1999 (vvt/99), sendo mantidas por criopreservação e em meio sólido inclinado. Estas linhagens estão sendo identificadas bioquimicamente por meio do sistema comercial CandiFast. O kit CandiFast é constituído por sete açúcares (glicose, galactose, trealose, maltose, celobiose, rafinose e lactose), sete antibióticos, e controle de crescimento positivo. Este sistema permite verificar a assimilação dos referidos açúcares por parte da linhagem a ser identificada por meio da mudança da coloração do meio devido ao abaixamento do pH, gerando duas entradas possíveis: “+”, para assimilação positiva ou “-” assimilação negativa. O objetivo do trabalho foi avaliar a eficiência do sistema CandiFast para identificação de leveduras em nível de gênero e espécie, quando utilizado como único método de identificação. Foram submetidas ao teste 86 linhagens, sendo 8 pertencentes à coleção vvt/96, 32 à coleção vvt/97 e 46 à coleção vvt/99. Um banco de dados elaborado em PostgreSQL foi construído com os dados de fermentação, assimilação e outras características de crescimento e resistência a antibióticos de todas as linhagens de leveduras descritas por Lodder (1974), Kreger-van Rij (1984) e Bennett et al. (1990). Os dados obtidos na galeria CandiFast foram confrontados com os dados do banco, fornecendo o possível gênero e espécie da linhagem isolada. A coleção vvt/97 apresentou maior porcentagem de linhagens identificadas, com 46,8% das mesmas classificadas como *Saccharomyces cerevisiae*. Da coleção vvt/99, 19% das linhagens foram identificadas, sendo todas também classificadas como *Sacch. cerevisiae*. A coleção vvt/96 apresentou a menor porcentagem de linhagens identificadas, apenas 12%, também todas sendo *Sacch. cerevisiae*. As demais linhagens (68,60%) das coleções não puderam ser identificadas utilizando apenas o sistema CandiFast, sendo necessária a aplicação de testes adicionais de assimilação e fermentação com outras fontes de carbono, como sacarose, xilose e ácido cítrico. Os resultados indicam que o sistema CandiFast é eficiente para identificação de linhagens de *Sacch. cerevisiae*, no entanto, para identificação de outros gêneros e espécies ainda são necessários testes adicionais com outras fontes de carbono ou ainda observações macroscópicas e microscópicas.

Fonte financiadora: Embrapa, CNPq, Capes.