



VEGETAIS

DESCRITORES QUANTITATIVOS E QUALITATIVOS NA ESTIMATIVA DA DIVERGÊNCIA GENÉTICA ENTRE LINHAGENS DE FEIJÃO-CAUPI TIPO FRADINHO

Artur Mendes Medeiros¹, José Ribamar Assunção Filho², Kaesel Jackson Damasceno e Silva³, Maurisrael de Moura Rocha³, Francisco Rodrigues Freire Filho³; Regina Lúcia Ferreira Gomes²

¹Universidade Estadual Norte Fluminense Darcy Ribeiro – UENF – [arturmedeiros20@yahoo.com.br/](mailto:arturmedeiros20@yahoo.com.br) ²Universidade Federal do Piauí – UFPI – [ribamarfh@hotmail.com;](mailto:ribamarfh@hotmail.com) [rfgomes@ufpi.edu.br/](mailto:rfgomes@ufpi.edu.br) ³Embrapa Meio-Norte – [kaesel@cpamn.embrapa.br;](mailto:kaesel@cpamn.embrapa.br) [mmrocha@cpamn.embrapa.br;](mailto:mmrocha@cpamn.embrapa.br) freire@cpamn.embrapa.br

Palavras-chave: *Vigna unguiculata*, Mahalanobis (D^2), germoplasma.

O conhecimento da variabilidade genética disponível nos Bancos Ativos de Germoplasma (BAGs) contribuirá para o estreitamento da relação entre os BAGs e os programas de melhoramento e na organização das informações dos BAGs. O objetivo deste trabalho foi estimar a divergência genética entre 20 linhagens de feijão-caupi tipo fradinho (*Vigna unguiculata* (L.) Walp.) do BAG da Embrapa Meio-Norte a partir de caracterização morfoagronômica. O experimento foi executado no campo Experimental da Embrapa Meio-Norte no período de março a maio de 2008 e o delineamento experimental utilizado foi o de blocos casualizados, com quatro repetições. Foram utilizados 28 descritores qualitativos e seis quantitativos recomendados pelo IPGRI (atualmente conhecido como Bioversity International). Realizaram-se análises univariada e multivariada e a divergência genética entre as linhagens e o agrupamento das mesmas foram estimadas, respectivamente, por meio da distância de Mahalanobis e o método de Tocher. As maiores medidas de dissimilaridade com base nos caracteres qualitativos foram entre as linhagens: MNC-1754 x MNC-1768 e MNC-1761 x MNC-1768. O método de Tocher possibilitou a formação de seis grupos com base nos descritores qualitativos. A análise de variância univariada evidenciou diferenças significativas ($P < 0,01$) entre os genótipos para cinco caracteres quantitativos avaliados, exceto para a produtividade. O método de agrupamento de Tocher possibilitou a formação de cinco grupos distintos. Os caracteres que mais contribuíram para divergência genética foram: o número de grãos por vagem e peso de 100 grãos. A divergência genética entre as linhagens foi de baixa magnitude, sendo necessária a introdução de novos parentais no programa de melhoramento de feijão-caupi visando à obtenção de grãos tipo fradinho.

Fonte Financiadora: EMBRAPA, PIBIC/UFPI