



VEGETAIS

VARIÁVEIS MULTICATEGÓRICAS NA DETERMINAÇÃO DA DIVERGÊNCIA GENÉTICA ENTRE LINHAGENS DE FEIJÃO-CAUPI

Eva Maria Rodrigues Costa¹, Kaesel Jackson Damasceno e Silva², Artur Mendes Medeiros³,
Maurisrael de Moura Rocha², Leonardo Castelo Branco Carvalho⁴

¹Genética e Melhoramento de Plantas – UFLA – evamrc_9@hotmail.com / ²Embrapa Meio-Norte – kaesel@cpamn.embrapa.br; mmrocha@cpamn.embrapa.br / ³Genética e Melhoramento de Plantas – UENF – arturmedeiros_eln@hotmail.com / ⁴Genética e Melhoramento – UFPI - leonardo@live.hk

Palavras-chave: *Vigna unguiculata*, banco de germoplasma, descritores e dissimilaridade.

Os bancos de germoplasma constituem-se em fontes de variabilidade genética para os programas de melhoramento. Essa variabilidade pode ser facilmente acessada através de caracterização morfológica. Objetivou-se com este trabalho estimar a divergência genética entre linhagens de feijão-caupi pertencentes ao Banco Ativo de Germoplasma da Embrapa Meio-Norte por meio de variáveis multicategóricas. O experimento foi realizado na área experimental da Embrapa Meio-Norte em Teresina-PI, em blocos ao acaso, com três repetições e 57 tratamentos. Foram utilizados 26 descritores relacionados à planta, à flor, à vagem e ao grão. A análise dos caracteres qualitativos consistiu na obtenção da matriz de dissimilaridades e em seguida, foi realizada a análise de agrupamento pelo Método de Otimização de Tocher. As análises foram realizadas com o auxílio do programa GENES v. 2007. Os descritores cor da quilha (branca), tipo de inflorescência (simples) e cor do cotilédone (branca) não diferenciaram as linhagens avaliadas. Entre os caracteres avaliados, a cor do grão exibiu uma grande variação. A linhagem IT92KD-279-3 apresentou o padrão de cor dos grãos esverdeada, uma característica bastante apreciada pelos consumidores. As diferenças visuais exibidas pelos grãos são de extrema importância quando se trata da preferência dos consumidores. Através do Método de Otimização de Tocher, foram formados onze grupos. O grupo dez foi formado pela linhagem IT93K-452-1, considerada a mais divergente entre as linhagens estudadas, diferenciando-se das demais pelas suas características de pigmentação do pedúnculo da inflorescência, cor da vagem e cor do grão. A caracterização multicategórica e o estudo da divergência baseada nesses dados são alternativas viáveis, simples e de baixo custo para avaliação de genótipos dos bancos de germoplasma.

Fonte Financiadora: EMBRAPA e CNPq