



### DIVERSIDADE GENÉTICA DE POPULAÇÕES DO BANCO ATIVO DE GERMOPLASMA DE PIMENTA DE MACACO

Jacson R. da S. Negreiros<sup>1</sup>; Lucas M. Lopes<sup>3</sup>; Sirlley B. Farias<sup>2</sup>; Jair A. de Oliveira<sup>2</sup>; Suanni K. P. Oliveira<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Embrapa Acre – jacson@cpafac.embrapa.br

<sup>2</sup> União Educacional do Norte - sirlleybraga@hotmail.com; jair.aquino01@gmail.com; suanni\_kelli@hotmail.com

<sup>3</sup> Universidade Federal de Acre - lucas\_lopes\_17@hotmail.com

**Palavras-chave:** *Piper aduncum*, diversidade genética, agrupamento, caracteres morfológicos.

A utilização de óleos essenciais abre perspectivas de crescimento, tanto no mercado nacional quanto no internacional, possibilitando o aproveitamento destes produtos em prol do desenvolvimento da região. Deste modo a *Piper aduncum* L. (Pimenta-de-macaco), uma piperácea nativa da Amazônia Ocidental brasileira, vem despertando o interesse devido à composição do óleo essencial que é rico em dilapiol. O objetivo desse trabalho foi estudar a variabilidade genética de doze populações do BAG de pimenta de macaco, localizado na Embrapa Acre, Rio Branco-Ac, por meio de caracteres morfológicos. Foram avaliadas 12 populações, com 10 acessos diferentes cada, de pimenta de macaco, oriundas do banco ativo de germoplasma (BAG). O delineamento experimental utilizado foi o inteiramente casualizado, com 12 tratamentos (populações) com 10 repetições (para cada população foram avaliados 10 acessos diferentes). As características avaliadas foram: comprimento do limbo, largura do limbo, comprimento do pecíolo, diâmetro do pecíolo-maior dimensão, diâmetro do pecíolo-menor dimensão, pilosidade da nervura central, pilosidade do pecíolo e número de entrenós. Os dados foram submetidos à análise de variância e a divergência genética foi avaliada por meio do agrupamento de Tocher e Variáveis Canônicas. Houve diferença significativa entre todos os caracteres, exceto comprimento do limbo. Isto indica existência de variabilidade genética, possibilitando a identificação de genótipos superiores que podem ser utilizados em programas de melhoramento genético. A otimização de Tocher possibilitou a formação de dois grupos, o primeiro com 10 populações (5, 7, 4, 6, 1, 10, 9, 11, 12 e 8) e o segundo com duas populações (2 e 3). As três variáveis canônicas explicaram 86,85 % da variação total e mostraram ampla dispersão entre as populações. Portanto, verificou-se variabilidade genética entre as populações de pimenta de macaco avaliadas.

Fonte financiadora: Embrapa.