

CBRG

Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos

Bancos de Germoplasma:
descobrir a riqueza,
garantir o futuro.

08 a 11 de Junho de 2010
Bahia Othon Palace Hotel
SALVADOR - BAHIA



ISSN 0102-0110
Junho, 2010

*Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária
Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia
Ministério da Agricultura, Pecuária e Abastecimento*

DOCUMENTOS 304

**CONGRESSO BRASILEIRO DE RECURSOS
GENÉTICOS
8 a 12 de Junho de 2010
Bahia Othon Palace Hotel**

*Clara Oliveira Goedert
Editora Técnica*

Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia
Brasília, DF
2010

Exemplares desta publicação podem ser adquiridos na:

Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia

Endereço: Parque Estação Biológica - PqEB - Av. W5 Norte (final)

Caixa Postal: 02372 - Brasília, DF - Brasil – CEP: 70770-917

Fone: (61) 3448-4700

Fax: (61) 3340-3624

Home Page: <http://www.cenargen.embrapa.br>

E-mail (sac): sac@cenargen.embrapa.br

Comitê de Publicações Local

Presidente: *Lucio Brunale*

Secretária-Executiva: *Ligia Sardinha Fortes*

Membros: *Diva Maria de Alencar Dusi*

Jonny Everson Scherwinski Pereira

José Roberto de Alencar Moreira

Regina Maria Dechechi G. Carneiro

Samuel Rezende Paiva

Suplentes: *João Batista Tavares da Silva*

Margot Alves Nunes Dode

Co-editores: *Roberto Lisboa Romão*

Manoel Abilio de Queiróz

Jose Geraldo de Aquino Asssis

Maria do Socorro Maués Albuquerque

Lara Durães Sette

Editoração eletrônica: GT5

Fotos da capa: Da Vinci Computação Gráfica

1ª edição

Todos os direitos reservados.

A reprodução não-autorizada desta publicação, no todo ou em parte, constitui violação dos direitos autorais (Lei n 9.610).

**Dados Internacionais de Catalogação na Publicação (CIP)
Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia**

C 749 Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos (2010 : Salvador, BA)
Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos, 08 a 11 de junho de 2010, Salvador, BA / Organização de Clara Oliveira
Goedert. – Brasília, DF: Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, 2010.
1 CD-ROM – (Documentos / Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, 0102 – 0110; 304).

1. Recursos genéticos. 2. Congresso. I. Goedert, Clara. II. Série.

581.15 – CDD 21.

© Embrapa 2010



AVALIAÇÃO AGRONÔMICA DE GENÓTIPOS DE MANDIOCA EM SOLO DE VÁRZEA DO RIO SOLIMÕES

Miguel Costa Dias¹

¹Embrapa Amazônia Ocidental – miguel.dias@cpaa.embrapa.br

Palavras chave: Seleção, Rendimento de Raiz, Doença, Teor de Amido

A área de várzea de água barrenta do Rio Solimões no Estado do Amazonas, apresenta alto potencial para produção de mandioca, tanto brava como mansa. Tendo em vista a necessidade de aumentar a produtividade desta cultura na região, montou-se um ensaio na área de várzea, ano agrícola 2007/2008 no campo experimental da Embrapa Amazônia Ocidental, no município de Iranduba, com o objetivo de selecionar diferentes genótipos de mandioca brava e mansa, de modo a identificar aqueles mais promissores quanto a produtividade, teor de amido e com tolerância e/ou resistência a *Phytophthora* sp., uma das principais doenças da mandioca na área de várzea. O delineamento experimental foi o de blocos ao acaso, com 3 repetições e 24 plantas por parcela, sendo 08 úteis. Foram utilizados 5 acessos de mandiocas bravas (IM-926, IM-929, IM-956, IM-976 e IM-980 e 8 acessos com mandiocas mansas (IM-927, IM-931, IM-946, IM-1043, IM-1045, IM-1128, IM-1570 e a cultivar Aipim Manteiga, como testemunha. O ciclo da mandioca na área de várzea é de 8 meses. Após esse período, realizou-se a colheita, avaliando-se a produtividade, teor de amido e percentual de doenças. Considerando-se a produtividade de raízes, os genótipos mais promissores foram IM-1043 (27,5 t/ha), IM-976 (24,0 t/ha), IM-927 (22,5 t/ha). Foram 6 os genótipos com teores de amido acima de 25%, sendo 5 mansas (IM-927, IM-1043, IM-1128, IM-1570 e Aipim Manteiga) e 1 brava (IM-976). Nas avaliações com a doença *Phytophthora* sp., apenas o genótipo IM-976 não apresentou problema com podridão radicular. Os demais apresentaram os seguintes percentuais: IM-927 e IM-1043 (10%), Aipim Manteiga (12%), IM-1128 (14%), IM-1045 e IM-1570 (20%), IM-931 (36%). As maiores incidências da doença ocorreram nos genótipos IM-926, IM-929, IM-946, IM-956 e IM-980 (100%). Os dados evidenciaram variabilidade genética entre os genótipos para produtividade, teor de amido e tolerância e/ou resistência a *Phytophthora* sp.

Fonte Financiadora: Embrapa