



ANIMAIS

CARACTERIZAÇÃO GENÉTICA DO CÃO FILA BRASILEIRO POR MEIO DE MARCADORES MICRO-SATÉLITES

Felipe-Silva, A.S.¹; Oliveira, D.A.A.¹; Carvalho, D.C.C.¹; Paiva, S. R.²; Kuabara, M.Y.¹; Vale Filho, V.R.¹

1- Escola de Veterinária da UFMG; 2- Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia
E-mail: anibalfelipe.vet@gmail.com

O cão Fila Brasileiro é a raça molossóide localmente adaptada mais importante no Brasil por suas habilidades de guarda, pastoreio, fidelidade e por sua origem histórica associada ao desenvolvimento da sociedade e cultura brasileiras. Visando auxiliar a manutenção deste recurso genético nacional, objetivo deste trabalho foi caracterizar geneticamente a raça por meio de 21 marcadores microssatélites recomendados pela *International Society for Animal Genetics* (ISAG) utilizando 40 cães Filas Brasileiros sem parentesco direto, representantes de cinco estados e três regiões geográficas brasileiras e enquadrados no padrão morfológico *Paulo Santos Cruz (PSC) / CAFIB*. Todos os *loci* apresentaram polimorfismo, com o número de alelos variando de 3 (AHTk253) a 8 (AHT121), com média de 5,4 alelos e de 3,1 alelos efetivos na população. Todos os *loci* encontram-se em equilíbrio de Hardy-Weinberg, exceto AHTH171 e AHTH260 ($P < 0,001$) e AHTk211 e REN54P11 ($P < 0,05$). O coeficiente de endogamia médio e o erro padrão estimados para a população foram ($F = 0,045 \pm 0,021$). O teste de designação racial (*assignment test*) indicou 100% dos animais pertencentes à mesma população. O trabalho-marco sobre caracterização genética em 85 raças puras de cães¹ realizado por pesquisadores norte-americanos não incluiu a raça Fila, ratificando a importância deste trabalho voltado para a preservação desta nossa raça canina localmente adaptada. Novas amostras serão adicionadas, bem como novas classes de marcadores moleculares, a fim de testar a hipótese de pureza desta raça comparando essa população com seus híbridos, muitas vezes registrados como indivíduos puros, assim como para identificar as raças européias que mais contribuíram para sua formação. De qualquer forma, os dados aqui gerados poderão servir de subsídio em programas de conservação *in situ* e *ex situ*, especialmente quando associados ao uso das biotecnologias da reprodução.

Palavras-chave: Testes genéticos, Raça Fila, Conservação, DNA

Financiamento/ Apoio: CAPES / Laboratório de Genética / EV-UFMG.