

CBRG Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos

Bancos de Germoplasma:
descobrir a riqueza,
garantir o futuro.

08 a 11 de Junho de 2010
Bahia Othon Palace Hotel
SALVADOR - BAHIA



ISSN 0102-0110
Junho, 2010

*Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária
Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia
Ministério da Agricultura, Pecuária e Abastecimento*

DOCUMENTOS 304

**CONGRESSO BRASILEIRO DE RECURSOS
GENÉTICOS
8 a 12 de Junho de 2010
Bahia Othon Palace Hotel**

*Clara Oliveira Goedert
Editora Técnica*

Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia
Brasília, DF
2010

Exemplares desta publicação podem ser adquiridos na:

Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia

Endereço: Parque Estação Biológica - PqEB - Av. W5 Norte (final)

Caixa Postal: 02372 - Brasília, DF - Brasil – CEP: 70770-917

Fone: (61) 3448-4700

Fax: (61) 3340-3624

Home Page: <http://www.cenargen.embrapa.br>

E-mail (sac): sac@cenargen.embrapa.br

Comitê de Publicações Local

Presidente: *Lucio Brunale*

Secretária-Executiva: *Ligia Sardinha Fortes*

Membros: *Diva Maria de Alencar Dusi*

Jonny Everson Scherwinski Pereira

José Roberto de Alencar Moreira

Regina Maria Dechechi G. Carneiro

Samuel Rezende Paiva

Suplentes: *João Batista Tavares da Silva*

Margot Alves Nunes Dode

Co-editores: *Roberto Lisboa Romão*

Manoel Abilio de Queiróz

Jose Geraldo de Aquino Asssis

Maria do Socorro Maués Albuquerque

Lara Durães Sette

Editoração eletrônica: GT5

Fotos da capa: Da Vinci Computação Gráfica

1ª edição

Todos os direitos reservados.

A reprodução não-autorizada desta publicação, no todo ou em parte, constitui violação dos direitos autorais (Lei n 9.610).

**Dados Internacionais de Catalogação na Publicação (CIP)
Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia**

C 749 Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos (2010 : Salvador, BA)
Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos, 08 a 11 de junho de 2010, Salvador, BA / Organização de Clara Oliveira
Goedert. – Brasília, DF: Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, 2010.
1 CD-ROM – (Documentos / Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, 0102 – 0110; 304).

1. Recursos genéticos. 2. Congresso. I. Goedert, Clara. II. Série.

581.15 – CDD 21.

© Embrapa 2010



MICROORGANISMOS

ANÁLISE DA POPULAÇÃO DE *Mycosphaerella fijiensis* POR MEIO DO MARCADOR M13 FINGERPRINTING

Casley Borges de Queiroz¹; Édil Correa Miranda¹; Luadir Gasparotto¹; Rogério E. Hanada²
Nelcimar R. Sousa¹; Gilvan Ferreira da Silva¹.

¹Embrapa Embrapa Amazônia Ocidental/CPAA: gilvan.silva@cpaa.embrapa.br;

²Instituto Nacional de Pesquisas da Amazônia/INPA

Palavras-chave: Marcadores moleculares. Diversidade genética. Fitopatógeno. Sigatoka-negra.

A sigatoka-negra é uma doença foliar da bananeira causada pelo fungo *Mycosphaerella fijiensis* Morelet, cuja fase anamórfica ou assexuada é o fungo *Paracercospora fijiensis* (Morelet) Deighton. É a doença mais destrutiva da bananeira, e, nas regiões onde ocorre devido à maior agressividade de seu agente etiológico e também em decorrência da alta gama de cultivares de bananeiras suscetíveis, as perdas podem atingir 100% da produção das bananas verdadeiras. Em virtude da recente introdução *M. fijiensis* no Brasil e as condições climáticas aqui encontradas, as informações sobre as variações genéticas da população do patógeno e o estudo da diversidade, juntamente com a busca de estratégias para o controle da doença, principalmente por meio de melhoramento visando resistência são as formas mais econômicas e ambientalmente corretas. Assim, este trabalho teve como objetivo analisar diversidade de 40 isolados de *M. fijiensis* de diferentes regiões geográficas do Brasil baseado na técnica de M13 *fingerprinting*. Foram analisados três *primers* diferentes baseados no fago M13 (M13mp18F GTACTGGTGACGAACTC e M13mp18R ATCGATAGCAGCACCGTA; M13minissatélite 5' GAGGGTGGCGGTGGTTCT 3'; M13 5' TTATGTAACCGCCAGT 3'). Somente o *primer* M13 foi capaz de detectar variações genéticas entre os isolados. Os dados revelam que há maior diversidade dentro de cada região estudada (similaridades de apenas 70 a 94%) do que entre as regiões (similaridade de até 100%), não havendo, portanto uma correlação entre similaridade genética e origem dos isolados. O padrão de bandas obtidos pelo marcador M13 permitiu também a obtenção de *fingerprinting* para 6 isolados. Análise destes isolados com os marcadores ISSR e IRAP confirma a alta capacidade discriminatória da técnica de M13 para obtenção de *fingerprinting* em isolados de *M. fijiensis*.

Fonte Financiadora: CNPq e FAPEAM.