



MELHORAMENTO GENÉTICO

108

Reação de genótipos de citros a *Phytophthora parasitica*.

(Reaction of citrus genotypes to *Phytophthora parasitica*).

Oliveira, A. A. R.¹; Soares Filho, W. S.¹; Santos, M. G.¹; Nascimento, J. M. O.²; Luz, E. M.³; Souza, U.²; Feichtenberger, E.⁴

¹Embrapa Mandioca e Fruticultura; ²CCAAB/UFRB; ³EBDA; ⁴APTA/SAA. E-mail: alberto@cnpmf.embrapa.br

A gomose de *Phytophthora*, causada principalmente por *Phytophthora parasitica* Dastur, é uma das principais doenças dos citros e está disseminada em todas as regiões citrícolas do mundo. A reação de variedades comerciais de citros ao ataque desse patógeno varia desde suscetibilidade muito elevada até alta resistência. A identificação e a seleção de genótipos resistentes à gomose é uma etapa importante nos programas de melhoramento de citros. Visando a obtenção de novas cultivares cítricas melhor adaptadas aos trópicos, a Embrapa Mandioca e Fruticultura iniciou um programa de hibridações tendo como base seu Banco Ativo de Germoplasma. O presente estudo constitui uma ação de pesquisa no referido programa e objetiva verificar a resistência/tolerância de genótipos de citros, principalmente porta-enxertos, à inoculação com *P. parasitica*. As plantas foram inoculadas mediante a inserção de um disco de meio de cultura colonizado com o patógeno e retirado de colônias com sete dias de idade. Trinta dias após a inoculação do patógeno, no caule dos porta-enxertos, foi avaliada a tolerância dos genótipos utilizados por meio da análise da área da lesão sob a casca. Os genótipos tangerina ‘Sunki comum’ e o híbrido de tangerina ‘Sunki da Flórida x citrange Argentina’ apresentaram maior suscetibilidade ao patógeno. Os híbridos de trifoliata desenvolveram, em geral, lesões de tamanho reduzido. Os demais genótipos apresentaram lesões de tamanhos bastante variáveis, porém a maioria, com lesões intermediárias, não diferenciando estatisticamente entre si.

Hospedeiro: *Citrus* spp, citros

Patógeno: *Phytophthora parasitica*

Doença: Gomose de *Phytophthora*

Área: Melhoramento Genético