



MELHORAMENTO GENÉTICO

342

Seleção de linhagens de soja quanto a resistência de *Corynespora cassiicola* safra 2009/2010.

Miguel-Wruck, D.S.¹; Paes, J.M.²; Zito, R.K.³; Wruck, F.J.³; Damasceno, A.G.³; Moulin, M.C.³

¹EMBRAPA/CPAMT; ²EPAMIG; ³EMBRAPA-CNPAF; E-mail: dulandula.wruck@embrapa.br

Avaliou-se 28 genótipos de soja convencional e soja RR, quanto a reação de *Corynespora cassiicola*, nos municípios de São Gabriel do Oeste (MS), Chapadão do Sul (MS) e Sorriso (MT), na safra 2009/2010. As linhagens foram divididas em dois grupos. No grupo I estão as linhagens convencionais (BRM04-1660; BRN03-14041 R(3); BRN05-06567; BRN06-12315; BRN06-12380; BRN06-18371; BRN06-19017; BRN06-24433; MGBR06-4485; MGBR06-4486; MGBR08-7733; MGBR08-7744; MGBR08-77511; MGBR08-77513; MGBR08-77533; MGBR08-77535; MGBR08-77543; MGBR08-77550; MGBR08-77913; MGBR08-7852; MGBR08-7853; BRSMG 810C; BRSMG 752S; BRSMG 752S; BRSMG 790A; M Soy 6101; Conquista; M 8400; A 7002) e o grupo II estão as linhagens RR (MGBR01-71257; RRMG05-44914; RRMG05-52921; RRMG05-55812; BRSMG 811CRR; BRSMG 850GRR; BRSMG 750SRR; BR05-83097; BR05-86275; RRMG06-5783; RRMG06-5885; RRMG06-6011; RRMG06-5793; RRMG06-5987; RRMG06-6021; RRMG06-60214; RRMG06-61222; RRMG06-61310; RRMG07-8536; RRMG07-85541; RRMG08-8906; RRMG08-8923; RRMG08-8978; RRMG08-9006; ANTA 82; M Soy 7908 RR; M Soy 8867 RR; Valiosa RR). A unidade experimental foi constituída de duas linhas de 3,5 metros. Foi avaliada a severidade da doença, utilizando a escala de notas de Horsfall-Barratt modificada (Campbell & Madden, 1990). Na safra de 2009/2010 a severidade da doença foi maior que na safra passada e as linhagens que apresentaram média de nota de severidade maior que 3 foram: BRM04-1660; BRN06-18371; MGBR08-77913 e RRMG07-85541.

Hospedeiro: Glycine Max, soja

Patógeno: *Corynespora cassiicola*

Doença: Mancha alvo

Área: Melhoramento Genético

Apoio: FAPEMIG