MELHORAMENTO GENÉTICO

818

Identificação de fontes de resistência à fusariose do maracujazeiro. (Identification of resistance sources to fusariosis from passionfruit).

Silva, A. S.¹; Oliveira, E. J.²; <u>Haddad, F</u>.²; Oliveira, S. A. S.²; Jesus, O. N.²; Laranjeira, F. F.²
¹UniversidadeFederal do Recôncavo da Bahia, CEP 44380-000, Cruz das Almas, BA; ²Embrapa Mandioca e Fruticultura, CEP 44380-000, Cruz das Almas, BA. E-mail: fernando@cnpmf.embrapa.br

A produtividade do maracujazeiro é seriamente prejudicada por problemas fitossanitários, como a fusariose, causada por *Fusariumoxysporum* sp. passiflorae. Neste estudo foram avaliados 25 acessos do Banco Ativo de Germoplasma de Maracujazeiro da Embrapa Mandioca e Fruticultura, quanto a resistência à fusariose em condições de campo infestado com o patógeno (sendo 14 acessos de maracujazeiro amarelo; três acessos de maracujazeiro roxo; três acessos de *Passiflora alata*Curtis; um acesso de *Passiflora cincinnata*Mast.; e quatro híbridos de maracujazeiro amarelo). Em média 15 plantas por acesso foram avaliadas durante 460 dias, contabilizando o número de plantas mortas para a obtenção da área abaixo da curva de progresso da doença (AACPD) e a análise de agrupamento dos acessos. Com base na AACPD, os acessos foram agrupados em três grupos: resistente (três acessos de maracujazeiro amarelo, dois acessos de *P. alata* e dois híbridos de maracujazeiro roxo), susceptível (sete acessos de maracujazeiro amarelo, dois acessos de maracujazeiro roxo e dois híbridos de maracujazeiro amarelo) e altamente susceptível (quatro acessos de maracujazeiro amarelo, um acesso de *P. alata*, um acesso de *P. cincinnata* e um acesso de maracujazeiro roxo). Sete acessos de germoplasma e um híbrido foram resistentes à fusariose, sendo passíveis na utilização como fontes de resistência a doença para o programa de melhoramento genético do maracujazeiro.

Hospedeiro: *Passiflora*, maracujazeiro Patógeno: *Fusarium oxysporum*f. sp. *passiflorae* Doença: Fusariose ou murcha-do-maracujazeiro

Área: Melhoramento Genético