



MELHORAMENTO GENÉTICO

341

Seleção de linhagens de soja quanto a resistência de *Corynespora cassiicola* safra 2008/2009.

Miguel-Wruck, D.S.¹; Paes, J.M.²; Zito, R.K.³; Wruck, F.J.³; Damasceno, A.G.³; Moulin, M.C.³

¹EMBRAPA/CPAMT; ²EPAMIG; ³EMBRAPA-CNPAP; E-mail: dulandula.wruck@embrapa.br

Foram avaliados 22 genótipos de soja convencional e 28 genótipos de soja RR quanto à reação de *Corynespora cassiicola* nos municípios de Sinop e Santa Carmem/MT. As linhagens foram divididas em dois grupos. No grupo I estão as linhagens convencionais (MGBR05-31219; BRM04-1660; MGBR04-15014; MGBR04-28416; MGBR05-2983; MGBR05-3362; MGBR05-3168; MGBR05-3441; MGBR05-3281; BRSMG 790A; BRN054852; MGBR05-31010; BRN05-7041; BRSMG 810C; MGBR04-4412; MGBR05-4357; M SOY 6101; M SOY 8001; EMGOPA 316; BRSMG 752S; A 7002; BRSMT Pintado) e o grupo II estão as linhagens RR (MGBR01-71257; RRMG04-35110; RRMG05-49914; RRMG05-4528; RRMG05-4564; RRMG05-4825; RRMG05-5103; RRMG05-52921; RRMG05-55812; RRMG05-5582; RRMG05-55914; RRMG05-45014; RRMG05-4555; RRMG05-4562; RRMG05-4572; RRMG05-5031; RRMG05-5085; RRMG05-5176; RRMG05-5486; RRMG05-5583; BRSMG 811CRR; BRSMG 850GRR; BRS Favorita RR; BRSMG 750SRR; M SOY 8008RR; M SOY 7908RR; BRS Valiosa RR; CD 219 RR). Foi avaliada a severidade da doença, utilizando a escala de notas de Horsfall-Barratt modificada (Campbell & Madden, 1990). Nessa safra ocorreu baixa severidade da doença no campo, nas avaliações dos genótipos convencionais, não ocorreu diferença entre os tratamentos nas duas localidades. Na avaliação dos genótipos RR em Santa Carmen ocorreu diferença, sendo que os genótipos RRMG05-49914; RRMG05-4564; RRMG05-5103; RRMG05-55812; RRMG05-5582; RRMG05-5486; BRSMG 811CRR; BRSMG 850GRR; BRS Favorita RR; M SOY 7908RR; BRS Valiosa RR; CD 219 RR, não diferiram entre e si e apresentaram maior severidade da doença.

Hospedeiro: *Glycine Max*, soja

Patógeno: *Corynespora cassiicola*

Doença: Mancha alvo

Área: Melhoramento Genético

Apoio: FAPEMIG