

pat v

F35 POSTER

INTERAÇÃO GENÓTIPO X AMBIENTE PARA GORDURA E PROTEÍNA DO LEITE EM BOVINOS DA RAÇA GIR LEITEIRO

LUCIANA SALLES DE FREITAS¹, VIVIAN PAULA SILVA FELIPE¹, RUI DA SILVA VERNEQUE², MARIA GABRIELA CAMPOLINA DINIZ PEIXOTO², RAPHAEL ROCHA WENCESLAU¹, MARTINHO ALMEIDA E SILVA¹

¹Departamento de Zootecnia UFMG, Brasil – email:lucianafreitas1002@hotmail.com

²Embrapa Gado de Leite, Brasil

As novas políticas de gratificações por qualidade e presença de certos constituintes do leite incentivaram estudos nesta área, com aumento da preocupação dos efeitos de ambiente sobre as características de sólidos no leite. Este trabalho objetivou investigar a presença de interação genótipo x ambiente para produção de gordura e proteína do leite em vacas da raça Gir leiteiro. Foram avaliadas 1094 observações de primeiras lactações de vacas Gir utilizadas no Programa Nacional de Melhoramento do Gir leiteiro, pela Embrapa Gado de leite. Os rebanhos foram divididos em três níveis de produção: baixo, médio e alto, respectivamente, com médias 1788, 2970, 4059 litros de leite. Para análise, foi aplicado modelo de regressão aleatória que considerou efeito fixo de grupo contemporâneo, efeito aleatório genético aditivo tendo o nível de produção como covariável, além do efeito residual; para modelagem foram utilizados polinômios de Legendre. A variância estimada para o intercepto foi maior do que a do coeficiente linear do efeito genético aditivo direto para as duas características, com correlação entre esses coeficientes de 0,44 para gordura e -0,80 para proteína. A estrutura de covariância estimada apresentou acentuada inclinação em direção aos níveis de produção mais altos. As normas de reação para os 10 melhores touros no ambiente de baixa produção apresentaram alta dispersão e alteração no ordenamento dos reprodutores nos níveis mais altos de produção. O que evidencia interação genótipo x níveis de produção nos valores genéticos dos indivíduos, assim avaliações genéticas realizadas sob determinado nível de produção, não permitiriam a predição de valores genéticos para as características avaliadas, válidos para outros níveis.

SP 5226
P. 167