

AVALIAÇÃO AGRONÔMICA E SELEÇÃO DE ACESSOS DA LEGUMINOSA FORRAGEIRA *Stylosanthes guianensis* EM MATO GROSSO DO SUL

Lazarotto, E. (1); Resende, R. M. S. (2); Chiari, L. (3); Matida, E. T. (4). (1) Bolsista de Iniciação Científica, CNPq-Fundect, edineiabio@yahoo.com.br. (2) Pesquisadora, Embrapa Gado de Corte. (3) Bolsista DCR, CNPq. (4) Bolsista de Aperfeiçoamento Técnico, CNPq-Fundect..

Dentre as leguminosas tropicais, as do gênero *Stylosanthes* são as mais utilizadas. A utilização da leguminosa forrageira *Stylosanthes guianensis* atende à demanda de espécies adaptadas às condições de solos de baixa fertilidade e com estação seca bem definida dos Cerrados, promove ganho significativo de peso em animais em cultivo consorciado com gramíneas e é, também, a alternativa menos onerosa no processo de recuperação de pastagens degradadas. Desta forma, o melhoramento genético dessa leguminosa é altamente relevante. Considerando o exposto e visando fornecer informações necessárias ao melhoramento do *S. guianensis*, propõe-se, neste trabalho, a avaliação experimental de 35 acessos dessa espécie, em delineamento de blocos ao acaso, com quatro repetições e parcelas lineares de quatro metros, com espaçamento de um metro entre as parcelas. Serão realizadas avaliações quinzenais de incidência de pragas e doenças (notas - escala de 0 a 9) e de velocidade de estabelecimento, quantificada em termos de progressão da área ocupada pelas plantas em cada linha. Serão realizados três cortes anuais para avaliação de produção de matéria seca (kg) e um para produção de sementes (em gramas de sementes puras viáveis). Para cada corte, será realizada a análise univariada, para determinar a heterogeneidade de variância entre cortes. Os componentes de variância serão estimados pelo método da máxima verossimilhança restrita (REML), utilizando o programa Selegen REML-BLUP, Modelo 20: blocos ao acaso, teste de populações, total de parcela. A análise das variáveis padronizadas será realizada para todos os cortes, segundo Modelo 9 do mesmo programa, considerando os efeitos aleatórios de acessos e de ambiente permanente. Os valores genotípicos preditos para os acessos e os parâmetros genéticos e fenotípicos estimados serão utilizados no programa de melhoramento genético da espécie. (Projeto financiado pela Embrapa, UNIPASTO, FUNDECT e CNPq).