

Análise filogenética consensual para Galerucinae *sensu lato* (Coleoptera: Chrysomelidae) utilizando a abordagem de construção de super árvore.

Rafael B. Almeida¹; Roberto F. Artoni¹; Marcelo R. Vicari¹; Viviane Nogaroto¹; Guilherme S. Schühli²; Mara C. Almeida¹

¹Universidade Estadual de Ponta Grossa – UEPG, PPG Biologia Evolutiva – Departamento de Biologia Estrutural, Molecular e Genética, CEP 84030-900, Ponta Grossa, PR, almeida.rb@hotmail.com;

²Embrapa Florestas, Estrada da Ribeira, km 111, Caixa Postal 319, CEP 83411-000, Colombo, PR, schuhli@cnpf.embrapa.br.

Galerucinae *sensu lato* possui mais de 10.000 espécies abrigando gêneros de Galerucines e também do grupo-irmão relacionado, os Alticinae. A Sistemática de Galerucinae s.l. não possui um consenso quanto à categorização e a posição de Galerucines e Alticinae, sendo que os principais estudos filogenéticos apontam três teorias conflitantes, sendo uma suportando um agrupamento monofilético de Galerucinae com Alticinae polifilético, uma com um agrupamento monofilético de Alticinae e com Galerucinae polifilético, e outra com Alticinae e Galerucinae sendo monofiléticos. Galerucinae é considerado um dos grupos mais importantes por conter significativas espécies-praga, assim como espécies modelo para padrões evolutivos (como o de escolha de hospedeiro, coevolução, ecologia química e evolução da farmacofagia). A construção de super árvores representa uma ferramenta capaz de gerar filogenias mais compreensivas, sólidas e abrangentes, incluindo a totalidade ou a maioria dos táxons do grupo, através da combinação de dados filogenéticos já publicados ou incorporados a bancos de dados. O objetivo deste trabalho foi sobrepor em uma super árvore as principais filogenias para Galerucinae s.l. empregando o critério de MRP. Foram analisadas 16 filogenias sob o critério da Parcimônia no PAUP* com 1000 replicações. Os dados morfológicos e moleculares foram considerados. Na análise foram incluídos 188 gêneros e a árvore foi enraizada pela Subfamília Chrysomelinae. A Super Árvore recuperou Galerucinae como monofilético, originando Alticinae (polifilético). O consenso representado na super árvore constitui a análise mais abrangente de gêneros dentro de Galerucinae s.l. e serve como ponto de partida para revisões mais abrangentes em níveis específicos.

Palavras-chave: Consenso; MRP; Sistemática.

Apoio/financiamento: Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior - CAPES. ; CNPq-PQ Processo-308382/2011-0.