



Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe

***"Por la valoración de los Recursos Genéticos para el
Desarrollo Sustentable en América Latina y el Caribe"***

MEMORIA



ALOCAÇÃO DE INDIVÍDUOS BASEADO EM GENÓTIPOS MULTILOCUS EM GRUPOS GENÉTICOS DE BÚFALOS CRIADOS NO BRASIL

Albuquerque, M.S.M.¹; Paiva, S.R.¹; Egito, A.A.¹; Marques, J.R.F.²; Castro, S.T.R.¹; Mariante, A.S.¹

¹*Pesquisador da Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia,*

Cx. Postal 02372 70.770-900 Brasília, Brasil. Email maués@cenargen.embrapa.br

²*Pesquisador da Embrapa Amazônia Oriental; Cx. Postal 48 66095-100 Belém, Brasil.*

Email marques@cpatu.embrapa.br

Neste estudo foram analisados 382 animais não relacionados dos cinco grupos genéticos de búfalos existentes no Brasil (Baio, Carabao, Jafarabadi, Mediterrâneo e Murrah) com o objetivo de verificar a alocação correta dos indivíduos em seus respectivos grupos. Esses animais foram provenientes de fazendas distribuídas em diferentes estados brasileiros onde a bubalinocultura tem maior expressão e a maioria deles está registrada nos respectivos Livros Genealógicos. A análise de DNA genômico foi realizada a partir de catorze locos microssatélites desenvolvidos para bovinos com condições de amplificação padronizadas para búfalos. A eletroforese capilar foi realizada em sistemas multiplex fluorescentes, em seqüenciador automático ABI 3100. A partir da frequência alélica, os animais foram alocados à população mais semelhante ou mais próxima, em função do seu próprio genótipo. Constatou-se que 100% dos animais pertencentes ao grupo Carabao se alocaram corretamente, enquanto que para os demais grupos Murrah, Mediterrâneo, Jafarabadi e Baio o percentual de alocação foi de 98,9; 97,1; 84,7 e 80,7%, respectivamente, evidenciando que alguns dos indivíduos foram assinalados como pertencentes a outro grupamento. Os altos valores observados na alocação indicam que esta análise pode ser útil em programas de conservação de recursos genéticos para atestar a pureza dos rebanhos em conservação ou mesmo a origem de determinadas populações. Este resultado também sugere a ocorrência de migração ou introgressão de genes em decorrência de possíveis cruzamentos entre os grupos no passado.

Palavras chave: *Bubalus bubalis*, recursos genéticos animais, diversidade genética.