

Avaliação das frequências alélicas e genotípicas do polimorfismo *FABP3/PVUL* em bovinos de corte

Primeiro autor: Jennifer Taynara Reis Benites
Demais autores: Benites, J. T. R.^{1}; Sousa, I. I.¹;*
Blecha, I. M. Z.²; Ferreira, A. B. R.³; Torres Junior,
R. A. A.⁵; Medeiros, S. R.⁵; Santiago, G. G.⁶;
Siqueira, F.⁵

Resumo

O *FABP3* (*Fatty Acid Binding Protein 3*) é um gene que está localizado no cromossomo 2 e expressa em diversos tecidos, principalmente, naqueles que apresentam alta demanda de ácidos graxos como o muscular, o cardíaco e o esquelético. Em bovinos, há relatos na literatura de associação desse gene com características de carcaça. Assim sendo, objetivou-se estimar as frequências alélicas e genotípicas de um polimorfismo do tipo SNP (*Single Nucleotide Polymorphism*) no gene *FABP3* em bovinos de diferentes grupos genéticos terminados em sistema superprecoce. Para a obtenção dos animais foram utilizadas 50 matrizes $\frac{1}{2}$ Valdostana + $\frac{1}{2}$ Nelore, 50 matrizes $\frac{1}{2}$ Angus + $\frac{1}{2}$ Nelore, inseminadas com touros Caracu e Canchim, e 80 matrizes $\frac{1}{2}$ Caracu + $\frac{1}{2}$ Nelore inseminadas com touros Caracu e Angus nas estações de monta de 2006-2007 e 2007-2008. Os 201 animais resultantes, após o desmame, foram confinados por aproximadamente seis meses e abatidos entre 14 e 16 meses, com cerca de 5 mm de espessura de gordura subcutânea. Após o abate, houve avaliações de carcaça e qualidade

(1) Graduanda de Ciências Biológicas da Universidade Anhanguera-UNIDERP, jennifer.reis@uniderp.edu.br. (2) Mestranda da Universidade Estadual do Mato Grosso do Sul - UEMS. (3) Analista da Embrapa Gado de Corte. (5) Pesquisador(a) da Embrapa Gado de Corte. (6) Mestrando da Universidade Federal de Mato Grosso do Sul - UFMS. * Autor correspondente.

de carne. Até o momento, foram genotipados 152 animais por meio da metodologia PCR-RFLP (*Polymerase Chain Reaction-Restriction Fragment Length Polymorphism*). Os animais dos grupos genéticos CCCN (62,5%) e CCVN (60,5%) apresentaram maiores frequências para o alelo G. E os animais dos grupos genéticos CRCN (52,4%) e RACN (50,0%) apresentaram maiores frequências para o alelo C. O genótipo GG, apresentou frequência de 25,0%, já o genótipo GC, apresentou maior frequência com 61,8%. Posteriormente, serão genotipados o restante dos animais e realizados testes de associação entre o polimorfismo e características de interesse, visando validar o efeito do gene *FABP3* em bovinos. Os resultados poderão contribuir para o melhoramento genético de bovinos de corte, por meio da utilização de marcadores moleculares para obtenção de animais que produzam carcaça e carne de melhor qualidade.

Parceria / Apoio financeiro

Embrapa, Universidade Anhanguera-Uniderp, UEMS e CNPq.