

EA

## Poster (Painel)

1039-2 ESTUDO MOLECULAR E FENOTÍPICO DE CEPAS DE *Staphylococcus* spp. ISOLADAS DO LEITE DE CABRAS COM MASTITE

Autores: Coimbra-e-Souza, V. (UFRJ - Universidade Federal do Rio de Janeiro) ; Brito, M. A. V. P. (EMBRAPA - Embrapa Gado de Leite) ; Laport, M. S. (UFRJ - Universidade Federal do Rio de Janeiro) ; Giambiagi-deMarval, M. (UFRJ - Universidade Federal do Rio de Janeiro)

## Resumo

A mastite é a inflamação da glândula mamária. Essa doença afeta rebanhos leiteiros do mundo inteiro, gerando consideráveis perdas econômicas aos produtores. O objetivo do nosso trabalho é identificar e caracterizar cepas de *Staphylococcus* provenientes de leite de cabras com mastite, através da análise de susceptibilidade a antimicrobianos, caracterização do tipo de *SSCmec* em cepas *mecA* positivas e análise da produção de biofilme. Para isto, 54 cepas foram isoladas a partir do leite de cabras com mastite de rebanhos pertencentes a três fazendas localizadas no estado de Minas Gerais. Todas as cepas foram avaliadas em relação ao perfil de susceptibilidade utilizando testes de difusão a partir de discos para 13 antimicrobianos utilizados na prática clínica. Nesse teste foi observada resistência para alguns dos antimicrobianos testados, tendo destaque para a penicilina e ampicilina para os quais 34,5% das cepas apresentaram-se resistentes, além da cefoxitina onde duas cepas foram resistentes. Na PCR para o gene *mecA*, somente as duas cepas resistentes à cefoxitina apresentaram resultado positivo. Com o objetivo de avaliar a capacidade de formar biofilme, realizamos inicialmente a detecção dos genes *icaA* e *bap*, ambos envolvidos na formação do biofilme, através de PCR. O gene *bap* foi detectado em 15 cepas e o gene *icaA* em 11 das cepas testadas. No teste da capacidade de formação de biofilme em placas de microdiluição de poliestireno a maioria das cepas (98%) foi capaz de produzi-lo. Utilizando o método de identificação molecular por PCR-RFLP do gene *groEL*, as cepas foram agrupadas em oito perfis de fragmentação. Os diferentes perfis encontrados correspondem às espécies *S. aureus*, *S. epidermidis*, *S. simulans*, *S. lugdunensis*, *S. pausteri* e *S. saprophyticus* e outros dois ainda se encontram em análise. O sequenciamento do gene *rrs*, que codifica o 16S rRNA, foi realizado para confirmar as identificações. Desta forma, temos uma avaliação global do perfil de cepas pertencentes ao gênero *Staphylococcus* que circulam nos rebanhos caprinos dessas três fazendas em Minas Gerais. CAPES, CNPq E FAPERJ



**Data:** 29/09/2013 a 03/10/2013

**Local:** Centro de Convenções de Natal

## **PROGRAMA E RESUMOS**

### **Eventos paralelos:**

II Simpósio Iberoamericano sobre Micro-organismos Fotossintetizantes

XV Simpósio Brasileiro de Micobactérias

II Simpósio de Fermentação Alcoólica

I Brazilian Microbiome Workshop and II Brazilian Microbiome Project Meeting

IV Simpósio de Coleções de Cultura

Mini-Simpósio sobre New Delhi metalo-beta-lactamase-1 (NDM-1)